PATENT ABSTRACTS OF JAPAN

(11)Publication number:

10-293130

(43)Date of publication of application: 04.11.1998

(51)Int.CI.

GO1N 33/68

CO7K 1/00 GO1N 31/00

(21)Application number : 09-091215

(22)Date of filing:

09.04.1997

(71)Applicant : SEIKO INSTR INC

(72)Inventor: ATAKA TATSUAKI

SAKUHARA TOSHIHIKO UCHIDA TOYOAKI TSUGITA AKIRA TAKAMOTO KEIJI

(30)Priority

Priority number: 08130381

Priority date : 24.05.1996

Priority country: JP

09 35312 09 36610 19.02.1997 20.02.1997

JP

JP

(54) METHOD FOR DETERMINING SEQUENCE OF AMINO ACID FROM CARBOXY END OF PROTEIN OR PEPTIDE

(57)Abstract:

PROBLEM TO BE SOLVED: To determine the sequence of amino acid from C end of protein or peptide by liberating the amino acid from the carboxy end (C end) of protein or peptide and then separating and identifying an amino acid thus obtained or a derivative thereof.

SOLUTION: An acid anhydride is caused to act on protein or peptide in order to protect the amino end of the protein or peptide and oxazolone is produced at the residue of amino acid of C end. Acid and alcohol are then caused to act on the protein or peptide where the produced C end is oxazolone and the C end amino acid is liberated. Subsequently, the combination of a series of operations comprising respective steps and the operation for separating and identifying the produced amino acid is performed repeatedly. According to the method, C end of protein or peptide can be determined without requiring any enzyme.

LEGAL STATUS

[Date of request for examination]

02.09.1997

[Date of sending the examiner's decision of rejection]

[Kind of final disposal of application other than the examiner's decision of rejection or application converted registration]

[Date of final disposal for application]

[Patent number]

3124507

[Date of registration]

27.10.2000

[Number of appeal against examiner's decision of

rejection]

[Date of requesting appeal against examiner's decision of

rejection]

[Date of extinction of right]

Copyright (C); 1998,2003 Japan Patent Office

(19)日本国特許庁(JP)

(12) 公開特許公報(A)

(11)特許出願公開番号

特開平10-293130

(43)公開日 平成10年(1998)11月4日

(51) Int.Cl. ⁶	識別記号	F I	
G01N 33/68		G01N 33/68	
C 0 7 K 1/00		C 0 7 K 1/00	
G 0 1 N 31/00		G 0 1 N 31/00	V

審査請求 有 請求項の数25 OL (全 35 頁)

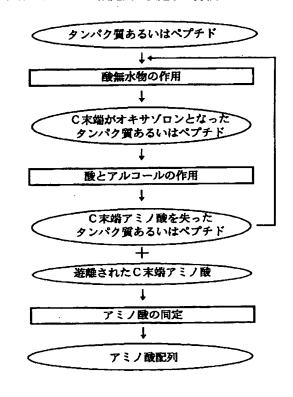
(21)出顯番号	特顧平9-91215	(71)出顧人	000002325
ഗരി നജ്ല	₩rb 0 \= (1007) 4 \= 0 \=		セイコーインスツルメンツ株式会社
(22)出顧日	平成9年(1997)4月9日	(72)発明者	千葉県千葉市美浜区中瀬1丁目8番地 安宅 龍明
(31)優先権主張番号	特顧平8-130381	(1-)	千葉県千葉市美浜区中瀬1丁目8番地 セ
(32)優先日	平 8 (1996) 5 月24日		イコー電子工業株式会社内
(33)優先権主張国	日本(JP)	(72)発明者	作原 寿彦
(31)優先権主張番号	特顧平9-35312		千葉県千葉市美浜区中瀬1丁目8番地 セ
(32)優先日	平 9 (1997) 2 月19日		イコー電子工業株式会社内
(33)優先権主張国	日本(JP)	(72)発明者	内田 豊明
(31)優先権主張番号	特顧平9-36610		千葉県千葉市美浜区中瀬1丁目8番地 セ
(32)優先日	平 9 (1997) 2 月20日		イコー電子工業株式会社内
(33)優先権主張国	日本 (JP)	(74)代理人	弁理士 林 敬之助
			最終頁に続く

(54) 【発明の名称】 タンパク質あるいはペプチドのカルボキシ末端からのアミノ酸配列を決定する方法

(57)【要約】

【課題】 酵素を用いることなく、タンパク質あるいはペプチドのカルボキシ末端からのアミノ酸配列を決定する。

【解決手段】 タンパク質あるいはペプチドに酸無水物を作用させカルボキシ末端をオキサゾロンとする工程を含むタンパク質またはペプチドのカルボキシ末端アミノ酸を遊離させる工程と、得られたアミノ酸またはアミノ酸誘導体を分離し同定する操作と、を組み合わせた手順をくり返す方法を実施した。



【特許請求の範囲】

【請求項1】 タンパク質またはペプチドのカルボキシ末端アミノ酸を遊離させる工程と、得られたアミノ酸またはアミノ酸誘導体を分離し同定する操作と、を組み合わせた手順をくり返す方法において、タンパク質あるいはペプチドに酸無水物を作用させ、カルボキシ末端をオキサゾロンとする工程が含まれることを特徴とする、タンパク質あるいはペプチドのカルボキシ末端からのアミノ酸配列を決定する方法。

【請求項2】 タンパク質またはペプチドのカルボキシ末端アミノ酸を遊離させる工程と、得られたアミノ酸またはアミノ酸誘導体を分離し同定する操作と、を組み合わせた手順をくり返す方法において、タンパク質あるいはペプチドに酸無水物を作用させ、アミノ末端を保護しカルボキシ末端をオキサゾロンとする工程が含まれることを特徴とする、タンパク質あるいはペプチドのカルボキシ末端からのアミノ酸配列を決定する方法。

【請求項3】 タンパク質あるいはペプチドに酸無水物を作用させ、アミノ末端を保護しカルボキシ末端をオキサゾロンとする第1工程と、生成したカルボキシ末端がオキサゾロンとなったタンパク質あるいはペプチドに酸とアルコールを作用させ、カルボキシ末端アミノ酸を遊離させる第2工程と、から構成される操作と、前記第2工程において得られたアミノ酸を分離し同定する操作と、を組み合わせた手順をくり返し実施することを特徴とするタンパク質あるいはペプチドのカルボキシ末端からのアミノ酸配列を決定する方法。

【請求項4】 タンパク質あるいはペプチドに酸無水物を作用させ、アミノ末端を保護しカルボキシ末端をオキサゾロンとする第1工程と、生成したカルボキシ末端がオキサゾロンとなったタンパク質あるいはペプチドに酸とアルコールを含む溶液を作用させ、カルボキシ末端アミノ酸を遊離させる第2工程と、から構成される操作と、前記第2工程において得られたアミノ酸を分離し同定する操作と、を組み合わせた手順をくり返し実施することを特徴とするタンパク質あるいはペプチドのカルボキシ末端からのアミノ酸配列を決定する方法。

【請求項5】 タンパク質あるいはペプチドに酸無水物を作用させ、アミノ末端を保護しカルボキシ末端をオキサゾロンとする第1工程と、生成したカルボキシ末端がオキサゾロンとなったタンパク質あるいはペプチドにエステルを作用させ、カルボキシ末端アミノ酸を遊離させる第2工程と、から構成される操作と、前記第2工程において得られたアミノ酸を分離し同定する操作と、を組み合わせた手順をくり返し実施することを特徴とするタンパク質あるいはペプチドのカルボキシ末端からのアミノ酸配列を決定する方法。

【請求項6】 タンパク質あるいはペプチドに酸無水物 を作用させ、アミノ末端を保護しカルボキシ末端をオキ サゾロンとする第1工程と、生成したカルボキシ末端が オキサゾロンとなったタンパク質あるいはペプチドに酸とアルコールを含む溶液から得られるエステルを作用させ、カルボキシ末端アミノ酸を遊離させる第2工程と、から構成される操作と、前記第2工程において得られたアミノ酸を分離し同定する操作と、を組み合わせた手順をくり返し実施することを特徴とするタンパク質あるいはペプチドのカルボキシ末端からのアミノ酸配列を決定する方法。

【請求項7】 前記タンパク質あるいはペプチドに酸無水物を作用させアミノ末端を保護しカルボキシ末端をオキサゾロンとする第1工程において、酢酸を添加することを特徴とする請求項3から請求項6記載のタンパク質あるいはペプチドのカルボキシ末端からのアミノ酸配列を決定する方法。

【請求項8】 タンパク質あるいはペプチドに酸無水物を作用させ、アミノ基を保護しカルボキシ末端をオキサゾロンとする第1工程と、アルコールを作用させ、カルボキシ末端アミノ酸を遊離させる第2工程と、アミンを作用させ、エステルを加水分解する第3工程と、から構成される一連の操作と、前記第2工程において得られたアミノ酸を分離し同定する操作と、を組み合わせた手順をくり返し実施することを特徴とするタンパク質あるいはペプチドのカルボキシ末端からのアミノ酸配列を決定する方法。

【請求項9】 タンパク質あるいはペプチドに酸無水物を作用させ、アミノ基を保護しカルボキシ末端をオキサゾロンとする第1工程と、アルコールを作用させ、カルボキシ末端アミノ酸を遊離させる第2工程と、アミンを作用させ、エステルを加水分解する第3工程と、から構成される一連の操作と、前記第3工程後にアミノ酸を分離し同定する操作と、を組み合わせた手順をくり返し実施することを特徴とするタンパク質あるいはペプチドのカルボキシ末端からのアミノ酸配列を決定する方法。

【請求項10】 タンパク質あるいはペプチドに酸無水物を作用させ、アミノ基を保護しカルボキシ末端をオキサゾロンとする第1工程と、アルコールを作用させ、カルボキシ末端アミノ酸を遊離させる第2工程と、アミン水溶液を作用させ、エステルを加水分解する第3工程と、から構成される一連の操作と、前記第2工程において得られたアミノ酸を分離し同定する操作と、を組み合わせた手順をくり返し実施することを特徴とするタンパク質あるいはペプチドのカルボキシ末端からのアミノ酸配列を決定する方法。

【請求項11】 タンパク質あるいはペプチドに酸無水物を作用させ、アミノ基を保護しカルボキシ末端をオキサゾロンとする第1工程と、アルコールを作用させ、カルボキシ末端アミノ酸を遊離させる第2工程と、アミン水溶液を作用させ、エステルを加水分解する第3工程と、から構成される一連の操作と、前記第3工程後にアミノ酸を分離し同定する操作と、を組み合わせた手順を

くり返し実施することを特徴とするタンパク質あるいは ペプチドのカルボキシ末端からのアミノ酸配列を決定す る方法。

【請求項12】 前記タンパク質あるいはペプチドに酸無水物を作用させアミノ基保護しカルボキシ末端をオキサゾロンとする第1工程において、酢酸を添加することを特徴とする、請求項8から請求項11記載のタンパク質あるいはペプチドのカルボキシ末端からのアミノ酸配列を決定する方法。

【請求項13】 前記アルコールを作用させカルボキシ末端アミノ酸を遊離させる第2工程を、酸存在下で実施することを特徴とする、請求項8から請求項11記載のタンパク質あるいはペプチドのカルボキシ末端からのアミノ酸配列を決定する方法。

【請求項14】 前記タンパク質あるいはペプチドに酸無水物を作用させアミノ基保護しカルボキシ末端をオキサゾロンとする第1工程において酢酸を添加し、さらに前記アルコールを作用させカルボキシ末端アミノ酸を遊離させる第2工程を酸存在下で実施することを特徴とする、請求項8から請求項11記載のタンパク質あるいはペプチドのカルボキシ末端からのアミノ酸配列を決定する方法。

【請求項15】 タンパク質あるいはペプチドに酸無水 物を作用させ、アミノ基を保護しカルボキシ末端アミノ 酸がアスパラギン酸ではない場合にはカルボキシ末端を オキサゾロンとし、カルボキシ末端アミノ酸がアスパラ ギン酸の場合にはカルボキシ末端を分子内酸無水物とす る第1工程と、アルコールを作用させ、カルボキシ末端 がオキサゾロンの場合にはカルボキシ末端アミノ酸を遊 離させ、カルボキシ末端が分子内酸無水物の場合には分 子内無水物をアルコリシスにより開環させる第2工程 と、酸無水物を作用させ、カルボキシ末端にオキサゾロ ンを生成させる第3工程と、アルコールで作用させ、カ ルボキシ末端アミノ酸をアミノ酸のエステルとして遊離 させる、第4工程と、アミンを作用させ、エステルを加 水分解する第5工程と、から構成される一連の操作と、 前記第2工程において得られたアミノ酸を分離し同定す る操作と、前記第5工程において得られたアミノ酸を分 離し同定する操作と、を組み合わせた手順をくり返し実 施することを特徴とするタンパク質あるいはペプチドの カルボキシ末端からのアミノ酸配列を決定する方法。

【請求項16】 タンパク質あるいはペプチドに酸無水物を作用させ、アミノ基を保護しカルボキシ末端アミノ酸がアスパラギン酸ではない場合にはカルボキシ末端をオキサゾロンとし、カルボキシ末端アミノ酸がアスパラギン酸の場合にはカルボキシ末端を分子内酸無水物とする第1工程と、アルコールを作用させ、カルボキシ末端がオキサゾロンの場合にはカルボキシ末端アミノ酸を遊離させ、カルボキシ末端が分子内酸無水物の場合には分子内無水物をアルコリシスにより開環させる第2工程

と、酸無水物を作用させ、カルボキシ末端にオキサゾロンを生成させる第3工程と、アルコールで作用させ、カルボキシ末端アミノ酸をアミノ酸のエステルとして遊離させる第4工程と、アミンを作用させ、エステルを加水分解する第5工程と、から構成される一連の操作と、前記第2工程において得られたアミノ酸を分離し同定する操作と、を組み合わせた手順をくり返し実施することを特徴とするタンパク質あるいはペプチドのカルボキシ末端からのアミノ酸配列を決定する方法。

【請求項17】 タンパク質あるいはペプチドに酸無水 物を作用させ、アミノ基を保護しカルボキシ末端アミノ 酸がアスパラギン酸ではない場合にはカルボキシ末端を オキサゾロンとし、カルボキシ末端アミノ酸がアスパラ ギン酸の場合にはカルボキシ末端を分子内酸無水物とす る第1工程と、アルコールを作用させ、カルボキシ末端 がオキサゾロンの場合にはカルボキシ末端アミノ酸を遊 離させ、カルボキシ末端が分子内酸無水物の場合には分 子内無水物をアルコリシスにより開環させる第2工程 と、酸無水物を作用させ、カルボキシ末端にオキサゾロ ンを生成させる第3工程と、アルコールで作用させ、カ ルボキシ末端アミノ酸をアミノ酸のエステルとして遊離 させる第4工程と、アミンを作用させ、エステルを加水 分解する第5工程と、から構成される一連の操作と、前 記第3工程において得られたアミノ酸誘導体を分離し同 定する操作と、を組み合わせた手順をくり返し実施する ことを特徴とするタンパク質あるいはペプチドのカルボ キシ末端からのアミノ酸配列を決定する方法。

【請求項18】 タンパク質あるいはペプチドに酸無水 物を作用させ、アミノ基を保護しカルボキシ末端アミノ 酸がアスパラギン酸ではない場合にはカルボキシ末端を オキサゾロンとし、カルボキシ末端アミノ酸がアスパラ ギン酸の場合にはカルボキシ末端を分子内酸無水物とす る第1工程と、アルコールを作用させ、カルボキシ末端 がオキサゾロンの場合にはカルボキシ末端アミノ酸を遊 離させ、カルボキシ末端が分子内酸無水物の場合には分 子内無水物をアルコリシスにより開環させる第2工程 と、酸無水物を作用させ、カルボキシ末端にオキサゾロ ンを生成させる第3工程と、アルコールで作用させ、カ ルボキシ末端アミノ酸をアミノ酸のエステルとして遊離 させる第4工程と、アミンを作用させ、エステルを加水 分解する第5工程と、から構成される一連の操作と、前 記第4工程において得られた混合物からアミノ酸誘導体 を分離し同定する操作と、を組み合わせた手順をくり返 し実施することを特徴とするタンパク質あるいはペプチ ドのカルボキシ末端からのアミノ酸配列を決定する方

【請求項19】 タンパク質あるいはペプチドに酸無水物を作用させ、アミノ基を保護しカルボキシ末端アミノ酸がアスパラギン酸ではない場合にはカルボキシ末端をオキサゾロンとし、カルボキシ末端アミノ酸がアスパラ

ギン酸の場合にはカルボキシ末端を分子内酸無水物とする第1工程と、アルコールを作用させ、カルボキシ末端がオキサゾロンの場合にはカルボキシ末端アミノ酸を遊離させ、カルボキシ末端が分子内酸無水物の場合には分子内無水物をアルコリシスにより開環させる第2工程と、酸無水物を作用させ、カルボキシ末端にオキサゾロンを生成させる第3工程と、アルコールで作用させ、カルボキシ末端アミノ酸をアミノ酸のエステルとして遊離させる第4工程と、アミンを作用させ、エステルを加水分解する第5工程と、から構成される一連の操作と、前記第5工程において得られた混合物からアミノ酸誘導体を分離し同定する操作と、を組み合わせた手順をくり返し実施することを特徴とするタンパク質あるいはペプチドのカルボキシ末端からのアミノ酸配列を決定する方法。

【請求項20】 タンパク質あるいはペプチドにハロゲ ン化蟻酸のエステルを作用させ、アミノ基を保護しカル ボキシ末端アミノ酸がアスパラギン酸ではない場合には カルボキシ末端をオキサゾロンとし、カルボキシ末端ア ミノ酸がアスパラギン酸の場合にはカルボキシ末端を分 子内酸無水物とする第1工程と、アルコールを作用さ せ、カルボキシ末端がオキサゾロンの場合にはカルボキ シ末端アミノ酸を遊離させ、カルボキシ末端が分子内酸 無水物の場合には分子内無水物をアルコリシスにより開 環させる第2工程と、ハロゲン化蟻酸のエステルを作用 させ、カルボキシ末端にオキサゾロンを生成させる第3 工程と、アルコールで作用させ、カルボキシ末端アミノ 酸をアミノ酸のエステルとして遊離させる第4工程と、 アミンを作用させ、エステルを加水分解する第5工程 と、から構成される一連の操作と、前記第2工程におい て得られたアミノ酸を分離し同定する操作と、前記第5 工程において得られたアミノ酸を分離し同定する操作 と、を組み合わせた手順をくり返し実施することを特徴 とするタンパク質あるいはペプチドのカルボキシ末端か らのアミノ酸配列を決定する方法。

【請求項21】 タンパク質あるいはペプチドにハロゲン化蟻酸のエステルを作用させ、アミノ基を保護しカルボキシ末端アミノ酸がアスパラギン酸ではない場合にはカルボキシ末端をオキサゾロンとし、カルボキシ末端を分子内酸無水物とする第1工程と、アルコールを作用させ、カルボキシ末端がオキサゾロンの場合にはカルボキシ末端アミノ酸を遊離させ、カルボキシ末端が分子内酸無水物の場合には分子内無水物をアルコリシスにより開環させる第2工程と、ハロゲン化蟻酸のエステルを作用させ、カルボキシ末端にオキサゾロンを生成させる第3工程と、アルコールで作用させ、カルボキシ末端アミノ酸をアミノ酸のエステルとして遊離させる第4工程と、アミンを作用させ、エステルを加水分解する第5工程と、アミンを作用させ、エステルを加水分解する第5工程と、から構成される一連の操作と、前記第2工程におい

て得られたアミノ酸を分離し同定する操作と、を組み合わせた手順をくり返し実施することを特徴とするタンパク質あるいはペプチドのカルボキシ末端からのアミノ酸配列を決定する方法。

【請求項22】 タンパク質あるいはペプチドにハロゲ ン化蟻酸のエステルを作用させ、アミノ基を保護しカル ボキシ末端アミノ酸がアスパラギン酸ではない場合には カルボキシ末端をオキサゾロンとし、カルボキシ末端ア ミノ酸がアスパラギン酸の場合にはカルボキシ末端を分 子内酸無水物とする第1工程と、アルコールを作用さ せ、カルボキシ末端がオキサゾロンの場合にはカルボキ シ末端アミノ酸を遊離させ、カルボキシ末端が分子内酸 無水物の場合には分子内無水物をアルコリシスにより開 環させる第2工程と、ハロゲン化蟻酸のエステルを作用 させ、カルボキシ末端にオキサゾロンを生成させる第3 工程と、アルコールで作用させ、カルボキシ末端アミノ 酸をアミノ酸のエステルとして遊離させる第4工程と、 アミンを作用させ、エステルを加水分解する第5工程 と、から構成される一連の操作と、前記第3工程におい て得られたアミノ酸誘導体を分離し同定する操作と、を 組み合わせた手順をくり返し実施することを特徴とする タンパク質あるいはペプチドのカルボキシ末端からのア ミノ酸配列を決定する方法。

【請求項23】 タンパク質あるいはペプチドにハロゲ ン化蟻酸のエステルを作用させ、アミノ基を保護しカル ボキシ末端アミノ酸がアスパラギン酸ではない場合には カルボキシ末端をオキサゾロンとし、カルボキシ末端ア ミノ酸がアスパラギン酸の場合にはカルボキシ末端を分 子内酸無水物とする第1工程と、アルコールを作用さ せ、カルボキシ末端がオキサゾロンの場合にはカルボキ シ末端アミノ酸を遊離させ、カルボキシ末端が分子内酸 無水物の場合には分子内無水物をアルコリシスにより開 環させる第2工程と、ハロゲン化蟻酸のエステルを作用 させ、カルボキシ末端にオキサゾロンを生成させる第3 工程と、アルコールで作用させ、カルボキシ末端アミノ 酸をアミノ酸のエステルとして遊離させる第4工程と、 アミンを作用させ、エステルを加水分解する第5工程 と、から構成される一連の操作と、前記第4工程におい て得られた混合物からアミノ酸誘導体を分離し同定する 操作と、を組み合わせた手順をくり返し実施することを 特徴とするタンパク質あるいはペプチドのカルボキシ末 端からのアミノ酸配列を決定する方法。

【請求項24】 タンパク質あるいはペプチドにハロゲン化蟻酸のエステルを作用させ、アミノ基を保護しカルボキシ末端アミノ酸がアスパラギン酸ではない場合にはカルボキシ末端をオキサゾロンとし、カルボキシ末端アミノ酸がアスパラギン酸の場合にはカルボキシ末端を分子内酸無水物とする第1工程と、アルコールを作用させ、カルボキシ末端がオキサゾロンの場合にはカルボキシ末端アミノ酸を遊離させ、カルボキシ末端が分子内酸

無水物の場合には分子内無水物をアルコリシスにより開環させる第2工程と、ハロゲン化蟻酸のエステルを作用させ、カルボキシ末端にオキサゾロンを生成させる第3工程と、アルコールで作用させ、カルボキシ末端アミノ酸をアミノ酸のエステルとして遊離させる第4工程と、アミンを作用させ、エステルを加水分解する第5工程と、から構成される一連の操作と、前記第5工程において得られた混合物からアミノ酸誘導体を分離し同定する操作と、を組み合わせた手順をくり返し実施することを特徴とするタンパク質あるいはペプチドのカルボキシ末端からのアミノ酸配列を決定する方法。

【請求項25】 前記アルコールを作用させ、カルボキシ末端がオキサゾロンの場合にはカルボキシ末端アミノ酸を遊離させ、カルボキシ末端が分子内酸無水物の場合には分子内無水物をアルコリシスにより開環させる第2工程と、前記アルコールで作用させ、カルボキシ末端アミノ酸をアミノ酸のエステルとして遊離させる第4工程と、を酸存在下で実施することを特徴とする請求項15から請求項24記載のタンパク質あるいはペプチドのカルボキシ末端からのアミノ酸配列を決定する方法。

【発明の詳細な説明】

[0001]

【発明の属する技術分野】本発明は、タンパク質あるい はペプチドの構造解析法に関する。

[0002]

【従来の技術】従来、タンパク質あるいはペプチドのカ ルボキシ末端(C末端)からのアミノ酸配列を決定する ためには、図3に示すようにタンパク質あるいはペプチ ドにカルボキシペプチダーゼを反応させ、反応液を経時 的に1部ずつ採取し、その反応液をアミノ酸分析装置で 分析して遊離されたアミノ酸を定量する方法が用いられ てきた(日本生化学会編、生化学実験講座第1巻、タン パク質の化学II、203-211ページ、1976年発行)。ま た、その反応液を質量分析装置にかけてC末端側のアミ ノ酸を失ったタンパク質あるいはペプチドの質量を測定 する方法も報告されている(A. Tsugita, R. van den Br らに、化学的な方法の1例として、図4に示すようにC 末端を無水酢酸で活性化し、トリメチルシリルイソチオ シアネートを結合させ、塩酸で切断するという一連の操 作を繰り返すことを利用した配列分析法も報告されてい る(D. H. Hawke, H-. W. Lahm , J. E. Shively, C. W. Todd, Anal. Biochem. 166, 298(1987)).

[0003]

【発明が解決しようとする課題】従来のカルボキシペプチダーゼを用いる方法は、酵素の基質特異性や活性がC末端アミノ酸あるいはそれに隣接するアミノ酸によってさまざまであること、さらに他のタンパク質分解酵素の混在があることから求めている以外のペプチド結合の切断が起き、正確な分析が困難になることがあった。また

この方法では酵素が自己消化性を持つことおよび酵素の精製が不十分の場合があること、といった理由によってによってアミノ酸およびペプチドが混入し汚染となるため微量分析には適していない。

【0004】また、他の化学的な方法等は十分には実用化されていない。そこで本発明は、酵素を用いることなく、タンパク質あるいはペプチドのC末端からのアミノ酸配列を決定する化学的方法を提供しようとするものである。

[0005]

【課題を解決するための手段】本発明においては、上記の欠点を克服しC末端からのアミノ酸の配列分析を実行するために、タンパク質あるいはペプチドに酸無水物を作用させ、カルボキシ末端をオキサゾロンとする工程を含むタンパク質またはペプチドのカルボキシ末端アミノ酸を遊離させる工程と、得られたアミノ酸またはアミノ酸誘導体を分離し同定する操作と、を組み合わせた手順を繰り返し実行した。これにより、酵素を用いることなく、タンパク質あるいはペプチドのC末端からのアミノ酸配列を決定することが可能になった。

[0006]

【発明の実施の形態】本発明の一つの実施手順として、 下記第1工程と第2工程とから構成される操作と、生成 したアミノ酸を分離し同定する操作との組み合わせを繰 り返した。

第1工程

タンパク質あるいはペプチドに、酸無水物を作用させ、 タンパク質あるいはペプチドのアミノ末端を保護し、C 末端のアミノ酸残基にオキサゾロンを生成させる。

【0007】第2工程

生成したカルボキシ末端がオキサゾロンとなったタンパク質あるいはペプチドに酸とアルコールを作用させ、カルボキシ末端アミノ酸を遊離させる。当該実施手順における別の一例として、上記の欠点を克服して末端からのアミノ酸の配列分析を実行するために、上記第1工程において酢酸を添加し、第1工程から第2工程までの各工程から構成される一連の操作と、生成したアミノ酸を分離し同定する操作との組み合わせを、繰り返し実施した。

【0008】本発明の別の実施手順として、下記第1工程から第3工程までの各工程から構成される一連の操作と、生成したアミノ酸を分離し同定する操作との組み合わせを繰り返した。

第1工程

タンパク質あるいはペプチドに、酸無水物を作用させ、 タンパク質あるいはペプチドのアミノ基を保護し、C末 端のアミノ酸残基にオキサゾロンを生成させる。

【0009】第2工程

アルコールを作用させ、第1工程の反応生成物に含まれるオキサゾロンに、アルコリシス (エステル化)を生起

させ、カルボキシ末端アミノ酸を遊離させる。 第3工程

アミンを作用させ、第2工程の反応生成物に含まれるエステルを加水分解反応する。

【0010】当該実施手順における別の一例として、上記第1工程において酢酸を添加し、第1工程から第3工程までの各工程から構成される一連の操作と、生成したアミノ酸を分離し同定する操作との組み合わせを、繰り返し実施した。当該実施手順におけるさらに別の一例として、アルコールを作用させる第2工程を酸存在下で実施し、第1工程から第3工程までの各工程から構成される一連の操作と、生成したアミノ酸を分離し同定する操作との組み合わせを、繰り返し実施した。

【0011】本発明のさらに別の実施手順として、下記第1工程から第5工程から構成される一連の操作と、生成したアミノ酸、あるいはアミノ酸誘導体を分離し同定する操作との組み合わせを、繰り返し実施した。

第1工程

タンパク質あるいはペプチドに、酸無水物を作用させ、 タンパク質あるいはペプチドのアミノ末端を保護し、C 末端のアミノ酸残基にオキサゾロンあるいは分子内酸無 水物(アスパラギン酸の場合)を生成させる。

【0012】第2工程

酸存在下でアルコールを作用させ、第1工程の反応生成物に含まれるオキサゾロンに、アルコリシス (エステル化)を生起させ、カルボキシ末端アミノ酸を遊離させるか、あるいは、分子内酸無水物をアルコリシスにより開環させる。

第3工程

酸無水物を作用させ、第2工程の反応生成物に含まれる、C末端がエステル化されていないタンパク質あるいはペプチドのC末端のアミノ酸残基にオキサゾロンを生成させる。

【0013】第4工程

酸存在下でアルコールで作用させ、第3工程の反応生成物に含まれるオキサゾロンに、アルコリシス (エステル化)を生起させ、カルボキシ末端アミノ酸を遊離させる。

第5工程

アミンを作用させ、第4工程の反応生成物に含まれるエステルを加水分解反応する。

【0014】当該実施手順における別の一例として、上記第1工程における酸無水物に代えて、ハロゲン化蟻酸のエステルを用い、第1工程から第5工程から構成される一連の操作と、生成したアミノ酸、あるいはアミノ酸誘導体を分離し同定する操作との組み合わせを、繰り返し実施した。

【0015】当該実施手順におけるさらに別の一例として、アルコールを作用させる第2工程および第4工程を 酸存在下で実施し、第1工程から第5工程までの各工程 から構成される一連の操作と、生成したアミノ酸、あるいはアミノ酸誘導体を分離し同定する操作との組み合わせを、繰り返し実施した。

【0016】以下実施例に基づいて本発明を詳細に説明する。

(実施例1)図1は本発明を示す工程図の一例である。 第1工程

タンパク質あるいはペプチドに、一般式、 $CH_3-(CH_2)$ $n-CO-O-CO-(CH_2)$ $n-CH_3$ (m,n) は0以上の整数)で表される有機酸の無水物、を作用させる。ここで、アミノ基が修飾されて末端アミノ酸がオキサゾロンとなったタンパク質あるいはペプチドが得られる。

【0017】第2工程

次に、このアミノ基が修飾されて末端アミノ酸がオキサ ゾロンとなったタンパク質あるいはペプチドに酸とアル コールを作用させる。ここで、アミノ基が修飾されて末 端のアミノ酸を1残基失ったタンパク質あるいはペプチ ドと元のC末端アミノ酸との混合物が得られる。

【0018】ここで得られたアミノ酸を分離し同定することによって、タンパク質あるいはペプチドのC末端のアミノ酸を決定することが出来る。以下、アミノ基が修飾されC末端のアミノ酸を1残基失ったタンパク質あるいはペプチドに、第1工程および第2工程の操作と、得られたアミノ酸を分離し同定する操作とを、繰り返し実施することによって、タンパク質あるいはペプチドのC末端からのアミノ酸配列を決定することができる。

【0019】(実施例2)ここでは本発明の、タンパク質あるいはペプチドに、第1工程および第2工程の操作と、第2工程を実施した後生成した混合物からアミノ酸を分離し同定する操作とを、繰り返し実施することによってタンパク質あるいはペプチドのC末端からのアミノ酸配列を決定する操作手順の一例を示す。

【0020】図2は本発明の実験手順を示す反応式の一例である。

第1工程

試料に、無水酢酸を作用させる。反応条件は下記の通りである。

反応条件

無水酢酸濃度 20% (アセトニトリル溶液、酢酸を1%になるように加えたもの。)

反応温度 60℃

反応時間 30分間

この反応後減圧乾固し、用いた試薬と溶媒とを除去する。

【0021】第2工程

得られた試料に、ペンタフルオロプロピオン酸(PFPA)とメタノールを作用させる。反応条件は下記の通りである。

反応条件

PFPA濃度

50% (メタノール溶液)

反応温度

60℃

反応時間

30分間

この条件下においては、PFPAとメタノールとが反応して、エステルであるペンタフルオロプロピオン酸メチルが生成する。さらに、減圧乾固し、用いた試薬と溶媒とを除去する。

【0022】第2工程を実施後、得られた試料からアミノ酸を分離し、そのアミノ酸を同定する。

【0023】以下、アミノ基が修飾されC末端のアミノ酸を1残基失ったタンパク質あるいはペプチドに、第1

工程および第2工程の手順と、第2工程を実施して得られたアミノ酸を分離し同定する操作との組み合わせを、繰り返し実施することによって、タンパク質あるいはペプチドのC末端からのアミノ酸配列を決定することができる。

【0024】(実施例3)ここでは本発明を説明するために用いたHPLC分析の条件と、HPLCによる標準化合物の分析結果を示す。HPLC分析の条件は下記の通りである。

[0025]

【表1】

測定条件

カラム : C18 MICROBORE (資生堂)

溶雕条件:下記A,B2液による濃度勾配溶出

A液 O. 1%TFA水溶液

B液 0.1%TFAを含む80%アセトニトリル水溶液

分析時間	溶離液組成	流速 (ml/min)
0 - 5 m i n	A液100%	0.15
5 – 3 0 m i n	A被100→0% (直線 勾配)	0.15
30-35min	A液0%	0.15
35-36min	A液0→100% (直線 勾配)	0. 15→0. 30
36-44min	A被100%	0.30
44-45min	A液100%	$0.30 \rightarrow 0.15$

検出波長:280nm

【0026】本条件を用いて分析した標準化合物は下記の通りである。分析結果をそれぞれ下記の番号の図に示した。図5にアラニルトリプトファン(Ala-Trp)を示す。図6にN-アセチルアラニルトリプトファン(Ac-Ala-Trp)を示す。図7にN-アセチルアラニルトリプトファニルメチオニルアルギニルフェニルアラニン(Ac-Ala-Trp-Met-Arg-Phe)を示す。図8にN-アセチルアラニルトリプトファニルメチオニルアルギニルフェニルアラニルアラニン(Ac-Ala-Trp-Met-Arg-Phe-Ala)を示す。

【0027】図7において、 N-アセチルアラニルトリプトファニルメチオニルアルギニルフェニルアラニンのピークが2個観察されている。これらは互いに異性体である。

【0028】(実施例4)ここでは第1工程の操作における条件下での、オキサゾロンの生成を示す。試料として、アラニルトリプトファン(Ala-Trp)、を用いた。オキサゾロンは水の作用によって容易に開裂する反応を利用した。検出には高速液体クロマトグラフ(HPLC)分析を用いた。第1工程の手順に従って得られた試料に水を作用させて得た反応生成物をHPLCで分析した結果を第9図に示す。HPLC分析の条件は実施

例3に示した通りである。

【0029】HPLC分析のための試料調製手順は下記の通りである。

①試料を減圧乾固する。

② 0.1%トリフルオロ酢酸(TFA)に溶解する。 図7との比較からわかるように、図9においてN-アセチルアラニルトリプトファン(Ac-Ala-Trp)6、が検出されており、第1工程においてオキサゾロンが生成したことがわかる。ここで、試料として用いたアラニルトリプトファンは検出されなかった。

【0030】(実施例5)ここでは第2工程の操作における条件下での、オキサゾロン環の開裂を示す。試料として、 Nーアセチルアラニルトリプトファニルメチオニルアルギニルフェニルアラニルアラニン(AcーAlaーTrpーMetーArgーPheーAla)を用いた。検出には、実施例4と同条件のHPLC分析を用いた。HPLC分析のための試料調製手順は実施例4に記した通りである。

【0031】実施例2に示した第2工程の操作を行って 得られた反応生成物を分析した結果を図10に示す。図 7との比較からわかるように、図10において、試料 として用いたN-アセチルアラニルトリプトファニルメ チオニルアルギニルフェニルアラニルアラニン(AcAla-Trp-Met-Arg-Phe-Ala)の C末端アミノ酸であったアラニンを失った生成物、N-アセチルアラニルトリプトファニルメチオニルアルギニ ルフェニルアラニン(Ac-Ala-Trp-Met-Arg-Phe)、符号7および符号8、が検出されて いる。これによって、第2工程の操作における条件下で オキサゾロン環の開裂が起き、C末端アミノ酸が遊離 し、C末端アミノ酸を失ったペプチド(アミノ末端がア セチル化されたもの)が生成したことがわかる。このC 末端アミノ酸を同定することによって、ペプチドのC末 端が決定される。

【0032】以降、このC末端アミノ酸を失ったペプチド(アミノ末端がアセチル化されたもの)に上記第1工程と第2工程とから構成される操作と、生成したアミノ酸を分離し同定する操作との組み合わせを、繰り返し実施することによって、用いたタンパク質あるいはペプチドのC末端からのアミノ酸配列を決定することができる。

【0033】以上実施例1から実施例5において述べてきた結果をまとめると次のようになる。本発明においては、C末端からのアミノ酸の配列分析を実行するために、下記第1工程と第2工程とから構成される操作と、生成したアミノ酸を分離し同定する操作との組み合わせを、繰り返し実施した。

【0034】第1工程

タンパク質あるいはペプチドに、酸無水物を作用させ、 タンパク質あるいはペプチドのアミノ末端を保護し、C 末端のアミノ酸残基にオキサゾロンを生成させる。

第2工程

生成したカルボキシ末端がオキサゾロンとなったタンパク質あるいはペプチドに酸とアルコールを作用させ、カルボキシ末端アミノ酸を遊離させる。

【0035】以下、本発明における別の実施手順を詳細 に説明する。

(実施例6)図11は本発明を示す工程図の一例である。

第1工程

タンパク質あるいはペプチドに、一般式、 $CH_3-(CH_2)$ m- $CO-O-CO-(CH_2)$ n- CH_3 (m、nは0以上の整数)で表される有機酸の無水物、を作用させる。ここで、アミノ基が修飾されC末端アミノ酸がオキサゾロンとなったタンパク質あるいはペプチドが得られる。

【0036】第2工程

次に、このアミノ基が修飾されC末端アミノ酸がオキサ ゾロンとなったタンパク質あるいはペプチドに、アルコ ールを酸存在下で作用させる。ここで、アミノ基が修飾 されC末端のアミノ酸を失い新たに出現したC末端のア ミノ酸のカルボキシル基がエステルとなったタンパク質 あるいはペプチドと元のC末端アミノ酸との混合物が得 られる。

【0037】第3工程

さらに、ここでアミノ基が修飾されて末端のアミノ酸を失い新たに出現したC末端のアミノ酸のカルボキシル基がエステルとなったタンパク質あるいはペプチドとアミノ酸との混合物に、例えば、一般式、NR1R2R3、で表されるアミンの水溶液を作用させる。ここで、アミノ基が修飾されて末端のアミノ酸を失ったタンパク質あるいはペプチドとアミノ酸との混合物が得られる。

【0038】上記第1工程から第3工程において得られたアミノ酸を分離し同定することによって、タンパク質あるいはペプチドのC末端のアミノ酸を決定することが出来る。以下、アミノ基が修飾されC末端のアミノ酸を失ったタンパク質あるいはペプチドに、第1工程から第3工程の一連の操作と、得られたアミノ酸を分離し同定する操作とを、繰り返し実施することによって、タンパク質あるいはペプチドのC末端からのアミノ酸配列を決定することができる。

【0039】(実施例7)ここでは本発明の、タンパク質あるいはペプチドに、第1工程から第3工程の一連の操作と、第2工程を実施した後生成した混合物からアミノ酸を分離し同定する操作とを、繰り返し実施することによってタンパク質あるいはペプチドのC末端からのアミノ酸配列を決定する操作手順の一例を示す。

【0040】図12は本発明の実験手順を示す反応式の一例である。

第1工程

試料に、無水酢酸を作用させる。反応条件の一例は下記 の通りである。

反応条件

無水酢酸濃度 20% (アセトニトリル溶液、酢酸を 1%になるように加えたもの。)

反応温度

60℃

反応時間 30分間

この反応後減圧乾固し、用いた試薬と溶媒とを除去する。

【0041】第2工程

こうして得られた試料に、ペンタフルオロプロピオン酸 (CF3-CF2-COOH:以降PFPAと略称する。)存在下でメタノールを作用させる。反応条件の一例は下記の通りである。

反応条件

PFPA濃度

10% (メタノール溶液)

反応温度

60℃

反応時間 30分間

この反応後減圧乾固し、用いた試薬と溶媒とを除去する。

【0042】第3工程

こうして得られた試料に、2-ジメチルアミノエタノール(以降DMAEと略称する。)を作用させる。反応条

件は下記の通りである。

反応条件

DMAE濃度

10%(水溶液)

反応温度

60℃

反応時間

30分間

この一連の操作において、第2工程を実施後、得られた 試料からアミノ酸を分離し、そのアミノ酸を同定する。 【0043】以下、アミノ基が修飾されて未端のアミノ 酸を失ったタンパク質あるいはペプチドに、第1工程から第3工程の一連の手順と、第2工程を実施して得られ たアミノ酸を分離し同定する操作との組み合わせを、繰 り返し実施することによって、タンパク質あるいはペプチドのC末端からのアミノ酸配列を決定することができる。

【0044】(実施例8)ここでは本発明の、タンパク質あるいはペプチドに、第1工程から第3工程の一連の操作と、第3工程を実施した後生成した混合物からアミノ酸を分離し同定する操作との組み合わせを、繰り返し実施することによってタンパク質あるいはペプチドのC

末端からのアミノ酸配列を決定する操作手順の一例を示す。

【0045】第1工程から第3工程までの一連の操作手順は実施例7に記述したものと同一である。この一連の操作において、第3工程を実施後、得られた試料からアミノ酸を分離し、そのアミノ酸を同定する。以下、アミノ基が修飾されて末端のアミノ酸を失ったタンパク質あるいはペプチドに、第1工程から第3工程の一連の手順と、第3工程を実施して得られたアミノ酸を分離し同定する操作とを、繰り返し実施することによって、タンパク質あるいはペプチドのC末端からのアミノ酸配列を決定することができる。

【0046】(実施例9)ここでは本発明を説明するために用いたHPLC分析の条件と、HPLCによる標準化合物の分析結果を示す。HPLC分析の条件は下記の通りである。

[0047]

【表2】

測定条件

カラム : C18 MICROBORE (資生堂)

溶雕条件:下記A,B2液による濃度勾配溶出

A液 0.1%TFA水溶液

B液 0.1%TFAを含む80%アセトニトリル水溶液

分析時間	溶雕液組成	流速 (ml/min)
0-5 min	A液100%	0.15
5 - 3 0 m i n	A液100→0% (直線 勾配)	
30-35min	A被0%	0. 15
35-36min	A被0→100% (直線 勾配)	0. 15→0. 30
36-44 min	A被100%	0.30
44-45min	A被100%	0. 30→0. 15

検出波長:280nm

【0048】本条件を用いて分析した標準化合物は下記の通りである。分析結果をそれぞれ下記の番号の図に示した。図13にトリプトファン(Trp)を示す。図14にアラニルトリプトファン(A1a-Trp)を示す。図15にN-アセチルアラニルトリプトファン(Ac-A1a-Trp)を示す。図16にN-アセチルアラニルトリプトファンのエチルエステル(Ac-A1a-Trp-OEt)を示す。

【0049】(実施例10)ここでは第1工程の操作における条件下での、オキサゾロンの生成を示す。試料として、アラニルトリプトファン(Ala-Trp)、を用いた。 オキサゾロンは水の作用によって容易に開裂する反応を利用した。検出には高速液体クロマトグラフ(HPLC)分析を用いた。第1工程の手順に従って得

られた試料に水を作用させて得た反応生成物をHPLC で分析した結果を第9図に示す。HPLC分析の条件は 実施例9に示した通りである。

【0050】HPLC分析のための試料調製手順は下記の通りである。

①試料を減圧乾固する。

② 0.1%トリフルオロ酢酸(TFA)に溶解する。 図15との比較からわかるように、図17においてNーアセチルアラニルトリプトファン(Ac—Ala-Trp)、符号13、が検出されており、第1工程においてオキサゾロンが生成したことがわかる。ここで、試料として用いたアラニルトリプトファンは検出されなかった。

【0051】(実施例11)ここでは第2工程の操作に

おける条件下での、オキサゾロン環の開裂を示す。試料として、実施例10と同様に、アラニルトリプトファンを用いた。検出には、実施例9と同条件のHPLC分析を用いた。HPLC分析のための試料調製手順は実施例5に記した通りである。

【0052】実施例7に示した第1工程と第2工程の操作を行って得られた反応生成物を分析した結果を第10図に示す。図13との比較からわかるように、図18においてトリプトファン、符号14、が検出されており、第2工程の操作における条件下でオキサゾロン環の開裂が起きカルボキシ末端アミノ酸が遊離したことがわかる。

【0053】(実施例12)実施例11において、オキサゾロンにPFPAのアルコール溶液を作用させカルボキシ末端アミノ酸を遊離させた。このアルコールの作用(アルコリシス)は、アミノ酸を遊離すると同時に新たに生じるC末端アミノ酸のカルボキシル基をエステル化する。C末端からのアミノ酸配列分析を引き続き実行す

るためには、このエステルを加水分解してカルボキシル 基を得る必要がある。

【0054】ここでは第3工程の操作における条件下での、エステルの加水分解を示す。試料として、 N-アセチルアラニルトリプトファンのエチルエステル (Ac-Ala-Trp-OEt)を用いた。検出には、実施例9と同条件のHPLC分析を用いた。HPLC分析のための試料調製手順は実施例5に記した通りである。

【0055】実施例7に示した第3工程の操作を行って得られた反応生成物を分析した結果を第11図に示す。図15との比較からわかるように、図19においてNーアセチルアラニルトリプトファン(Ac—Ala-Trp)、符号15、が検出されており、実施例7に示した第3工程の操作における条件下で、アミン水溶液の作用によってエステルが加水分解されたことがわかる。

【0056】(実施例13)これ以降の実施例においては、質量分析を用いて本発明を説明する。本実施例においては質量分析の条件、および試料の調製手順を示す。

質量分析の条件

分析装置 : 二重収束質量分析計 HX-110(日本電子)

測定条件 : 加速電圧

イオン源 FAB (高速粒子衝撃法)

イオン化ガス X e イオンモード 陽イオン

FABガン加速電圧 6kV

検出器 MULTIPLIER

 付加電圧
 -20kV

 データ処理システム
 DA5000

マトリックス

グリセロール:チオグリセロール:m-ニトロベンジル

アルコール

(GLYCEROL: THIOGLYCEROL

: m-NITROBENZYLALCOHOL)

=1:1:1

【0057】試料調製手順:

①試料を減圧乾固する。

②67%酢酸水溶液(あるいはジメチルホルムアミド) に溶解する。

③ターゲット上にマトリックスを1µ1のせる。

 Φ さらにターゲット上に試料溶液を $1\mu1$ のせ、混和する。

【0058】 5イオン源に導入する。

【0059】(実施例14)ここでは質量分析を用いて、第1工程におけるオキサゾロンを生成させる際の反応条件を検討した例を示す。試料として、配列番号1のペンタペプチド、ロイシルートリプトファニルーメチオニルーアルギニルーフェニルアラニン(Leu-TrpーMet-Arg-Phe)を用いた。本実施例においては、第1工程に引き続き第2工程を実施する手順と

した。

【0060】第1工程における反応条件は実施例と同じ く下記の通りである。

反応条件

無水酢酸濃度:20% (アセトニトリル溶液、酢酸を1%になるように加えたもの。)

/がになるように加えたもの。

反応温度: ·60℃ 反応時間: 30分間

第2工程の反応条件は下記の通りとした。用いる酸を、 ヘプタフルオロ酪酸($CF_3-CF_2-CF_2-COO$ H:以降HFBAと略称する。)とし、用いるアルコー

ルをエタノールとした。 【0061】 反応条件

HFBA濃度: 5% (エタノール溶液)

反応温度: 60℃

反応時間: 30分間

得られた試料の質量分析を行った結果を第20図に示す。ここで、アミノ末端がアセチル化されて末端アミノ酸を失いC末端のカルボキシル基がエチルエステルとなった反応生成物(アセチルーロイシルートリプトファニルーメチオニルーアルギニンのエチルエステル、分子量675:以降Ac-LWMR-OEtと略称する。)の分子イオンが検出されており(符号16)、第1工程においてオキサゾロンが生成し、さらに第2工程においてC末端アミノ酸が遊離されたことがわかる。

【0062】(実施例15)次に、第1工程における反応条件をさらに変化させた例を示す。試料として、実施例14と同様に配列番号1のペンタペプチドを用いた。 実施手順は実施例14と同様である。第1工程における 反応条件を下記の通りとした。

反応条件

無水酢酸濃度 20% (アセトニトリル溶液、酢酸を加えないもの。)

反応温度

60℃

反応時間 30分間

第2工程の反応条件は実施例13と同様である。

【0063】得られた試料の質量分析を行った結果を第21図に示す。この条件下においても、Ac-LWMR-OE tの分子イオンが検出されており(符号17)、第1工程においてオキサゾロンが生成したことがわかる。同時に分子量718、および分子量761の分子イオン(それぞれ符号18および19)が検出されており、アミノ末端がアセチル化されて末端アミノ酸を失いて末端のカルボキシル基がエチルエステルとなった反応生成物のアセチル化がさらに進行した化学種も生成したことがわかる。

【0064】(実施例16)次に、第1工程における反応条件をさらに変化させた例を示す。試料として、実施例9と同様に配列番号1のペンタペプチドを用いた。実施手順は実施例14と同様である。第1工程における反応条件を下記の通りとした。

反応条件

無水酢酸濃度 20% (アセトニトリル溶液、酢酸を2%となるように加えたもの。)

反応温度 60℃

反応時間 30分間

第2工程の反応条件は実施例14と同様である。

【0065】得られた試料の質量分析を行った結果を第22図に示す。この条件下においても、Ac-LWMR-OEtの分子イオンが検出されており(符号2

0)、第1工程においてオキサゾロンが生成したことが わかる。

【0066】(実施例17)次に、第1工程における反応条件をさらに変化させた例を示す。試料として、実施例9と同様に配列番号1のペンタペプチドを用いた。実

施手順は実施例14と同様である。第1工程における反 応条件を下記の通りとした。

【0067】反応条件

無水酢酸濃度 5% (アセトニトリル溶液、酢酸を 1%になるように加えもの)

反応温度 60℃

反応時間 30分間

第2工程の反応条件は実施例14と同様である。

【0068】得られた試料の質量分析を行った結果を第23図に示す。 この条件下においても、Ac-LWMR-OEtの分子イオンが検出されており(符号2

1)、第1工程においてオキサゾロンが生成したことがわかる。

(実施例18)さらに、第2工程におけるC末端アミノ酸を遊離させる際の反応条件を検討した例を示す。試料として、配列番号1のペンタペプチドを用いた。以降の実施例においても、第1工程に引き続き第2工程を実施する手順とした。第1工程における反応条件は実施例14と同じく下記の通りである。

【0069】反応条件

無水酢酸濃度 20% (アセトニトリル溶液、酢酸を 1%になるように加えたもの。)

反応温度 60℃

反応時間 30分間

第2工程の反応条件を下記のように変化させた。

【0070】反応条件

HFBA濃度 2% (エタノール溶液)

反応温度 60℃

反応時間 30分間

得られた試料の質量分析を行った結果を第34図に示す。ここで、Ac-LWMR-OEtの分子イオンが検出されており(符号22)、第1工程においてオキサゾロンが生成し、さらに第2工程においてC末端アミノ酸が遊離されたことがわかる。

【0071】(実施例19)さらに第2工程の反応条件を下記のように変化させた。

反応条件

HFBA濃度 5% (エタノール溶液)

反応温度 60℃

反応時間 10分間

第1工程における反応条件は実施例9と同じである。

【0072】得られた試料の質量分析を行った結果を第25図に示す。ここで用いた条件下においても、Ac-LWMR-OEtの分子イオンが検出されており(符号23)、第1工程においてオキサゾロンが生成し、さらに第2工程においてC末端アミノ酸が遊離されたことがわかる。

(実施例20)さらに第2工程の反応条件を下記のよう に変化させた。

【0073】反応条件

HFBA濃度 5% (エタノール溶液)

反応温度 室温

反応時間 30分間

第1工程における反応条件は実施例14と同じである。 【0074】得られた試料の質量分析を行った結果を第26図に示す。ここで用いた条件下においても、AcーLWMR-OEtの分子イオンが検出されており(符号24)、第1工程においてオキサゾロンが生成し、さらに第2工程においてC未端アミノ酸が遊離されたことがわかる。

【0075】(実施例21)さらに第2工程の反応条件を下記のように変化させた。

反応条件

HFBA濃度 5% (エタノール溶液)

反応温度 5℃

反応時間 30分間

第1工程における反応条件は実施例14と同じである。 【0076】得られた試料の質量分析を行った結果を第27図に示す。ここで用いた条件下においても、Ac-LWMR-OEtの分子イオンが検出されており(符号25)、第1工程においてオキサゾロンが生成し、さらに第2工程においてC末端アミノ酸が遊離されたことがわかる。

【0077】(実施例22)さらに第2工程の反応条件を下記のように変化させた。

反応条件

HFBA濃度 5% (エタノール溶液)

反応温度 100℃

反応時間 15分間

第1工程における反応条件は実施例14と同じである。 【0078】得られた試料の質量分析を行った結果を第28図に示す。ここで用いた条件下においても、AcーLWMR-OEtの分子イオンが検出されており(符号26)、第1工程においてオキサゾロンが生成し、さらに第2工程においてC末端アミノ酸が遊離されたことがわかる。

【0079】(実施例23)さらに第2工程の反応条件を下記のように変化させた。

反応条件

HFBA濃度 5% (メタノール溶液)

反応温度 60℃

反応時間 30分間

第1工程における反応条件は実施例14と同じである。 【0080】得られた試料の質量分析を行った結果を第29図に示す。ここで用いた条件下において、アミノ末端がアセチル化され、C末端アミノ酸を失い、C末端のカルボキシル基がエチルエステルとなった反応生成物(アセチルーロイシルートリプトファニルーメチオニルーアルギニンのメチルエステル、分子量661:以降Ac-LWMR-OMeと略称する。)の分子イオン が検出されており(符号27)、第1工程においてオキサゾロンが生成し、さらに第2工程においてC末端アミノ酸が遊離されたことがわかる。

【0081】(実施例24)さらに第2工程の反応条件を下記のように変化させた。

反応条件

HFBA濃度 5% (メタノール溶液)

反応温度 5℃

反応時間 30分間

第1工程における反応条件は実施例14と同じである。 【0082】得られた試料の質量分析を行った結果を第30図に示す。ここで用いた条件下においても、AcーLWMR-OMeの分子イオンが検出されており(符号28)、第1工程においてオキサゾロンが生成し、さらに第2工程においてC末端アミノ酸が遊離されたことがわかる。

【0083】(実施例25)さらに第2工程の反応条件を下記のように変化させた。

反応条件

PFPA濃度 5% (エタノール溶液)

反応温度 60℃ 反応時間 30分間

第1工程における反応条件は実施例14と同じである。 【0084】得られた試料の質量分析を行った結果を第31図に示す。ここで用いた条件下において、Ac-LWMR-OEtの分子イオンが検出されており(符号29)、第1工程においてオキサゾロンが生成し、さらに第2工程においてC末端アミノ酸が遊離されたことがわかる。

【0085】(実施例26)さらに第2工程の反応条件を下記のように変化させた。

反応条件

PFPA濃度 20% (エタノール溶液)

反応温度 60℃ 反応時間 30分間

第1工程における反応条件は実施例14と同じである。 【0086】得られた試料の質量分析を行った結果を第32図に示す。 ここで用いた条件下においても、 Ac-LWMR-OEtの分子イオンが検出されており(符号30)、第1工程においてオキサゾロンが生成し、さらに第2工程においてC末端アミノ酸が遊離されたことがわかる。

【0087】(実施例27)次に、第1工程における反応条件を下記の通りとした。

反応条件

無水酢酸濃度 20% (アセトニトリル溶液、酢酸を 1%になるように加えたもの。)

反応温度 60℃

反応時間 10分間

第2工程における反応条件を下記の通りとした。

【0088】反応条件

HFBA濃度 5% (メタノール溶液)

反応温度 室温

反応時間 30分間

得られた試料の質量分析を行った結果を第33図に示す。

【0089】この条件下においても、Ac-LWMR-OMeの分子イオンが検出されており(符号31)、第1工程においてオキサゾロンが生成したことがわかる。【0090】(実施例28)次に、第1工程における反応条件を下記の通りとした。

反応条件

無水酢酸濃度 20% (アセトニトリル溶液、酢酸を1%になるように加えたもの。)

反応温度 90℃

反応時間 10分間

第2工程における反応条件を下記の通りとした。

【0091】反応条件

HFBA濃度 5% (メタノール溶液)

反応温度 室温

反応時間 30分間

得られた試料の質量分析を行った結果を第34図に示す。

【0092】ここで用いた条件下においても、 Ac-LWMR-OMeの分子イオンが検出されており(符号32)、第1工程においてオキサゾロンが生成し、さらに第2工程においてC末端アミノ酸が遊離されたことがわかる。

【0093】(実施例29)次に、第1工程における反応条件を下記の通りとした。

反応条件

無水酢酸濃度 20% (アセトニトリル溶液、酢酸を 1%になるように加えたもの。)

反応温度 室温

反応時間 30分間

第2工程の反応条件を下記のように変化させた。

【0094】反応条件

HFBA濃度 5% (メタノール溶液)

反応温度 60℃

反応時間 30分間

得られた試料の質量分析を行った結果を第35図に示す。

【0095】ここで用いた条件下においても、Ac-LWMR-OMeの分子イオンが検出されており(符号 33)、第1工程においてオキサゾロンが生成し、さらに第2工程においてC末端アミノ酸が遊離されたことがわかる。

【0096】以上実施例6から実施例29において述べてきた結果をまとめると次のようになる。本発明においては、C末端からのアミノ酸の配列分析を実行するため

に、下記第1工程から第3工程までの各工程から構成される一連の操作と、生成したアミノ酸を分離し同定する操作との組み合わせを、繰り返し実施した。

【0097】第1工程

タンパク質あるいはペプチドに、酸無水物を作用させ、 タンパク質あるいはペプチドのアミノ基を保護し、C末 端のアミノ酸残基にオキサゾロンを生成させる。

第2工程

酸存在下でアルコールを作用させ、第1工程の反応生成 物に含まれるオキサゾロンに、アルコリシス(エステル 化)を生起させ、カルボキシ末端アミノ酸を遊離させ る。

【0098】第3工程

アミンを作用させ、第2工程の反応生成物に含まれるエステルを加水分解する。

【0099】以下本発明における別の実施手順を詳細に 説明する。

(実施例30)図36は本発明を示す工程図の一例である。

第1工程

タンパク質あるいはペプチドに、一般式、CH3-(CH2)m-CO-O-CO-(CH2)n-CH3 (m、nは0以上の整数)で表される有機酸の無水物、を作用させる。ここで、アミノ基が修飾されて末端アミノ酸がオキサゾロンとなったタンパク質あるいはペプチドが得られる。この際、C末端のアミノ酸がアスパラギン酸である場合、アミノ基がアシル化されて末端のアスパラギン酸が分子内酸無水物となったタンパク質あるいはペプチドが得られる。

【0100】第2工程

次に、このアミノ基が修飾されて末端アミノ酸がオキサゾロンとなったタンパク質あるいはペプチド、あるいはアミノ基がアシル化されて末端のアスパラギン酸が分子内酸無水物となったタンパク質あるいはペプチドに、アルコールを酸存在下で作用させる。ここで、アミノ基がアシル化されて末端のアミノ酸を失い新たに出現したで末端のアミノ酸のカルボキシル基がエステルとなったタンパク質あるいはペプチドと元のC末端アミノ酸との混合物が得られる。この際、アミノ基がアシル化されて末端のアスパラギン酸が分子内酸無水物となったタンパク質あるいはペプチドは、アミノ基がアシル化されて末端のアスパラギン酸のβーカルボキシル基がエステルとなったタンパク質あるいはペプチドとなる。

【0101】第3工程

さらに、このアミノ基がアシル化されて末端のアミノ酸を失い新たに出現したC末端のアミノ酸のカルボキシル基がエステルとなったタンパク質あるいはペプチドと元のC末端アミノ酸との混合物、あるいはアミノ基がアシル化されて末端のアスパラギン酸のβーカルボキシル基がエステルとなったタンパク質あるいはペプチドに、一

限式、CH3-(CH2) m-CO-O-CO-(CH2) n-CH3 (m、nは0以上の整数) で表される有機酸の無水物、を作用させる。ここで、アミノ基が修飾されて末端のアミノ酸を失い新たに出現したC末端のアミノ酸のカルボキシル基がエステルとなったタンパク質あるいはペプチドはなんら作用を受けない。元のC 末端アミノ酸はアシル化されたアミノ酸誘導体となる。一方、アミノ基がアシル化されて末端のアスパラギン酸の β - カルボキシル基がエステルとなったタンパク質あるいはペプチドは、アミノ基がアシル化されて末端のアスパラギン酸の α - カルボキシル基がオキサゾロンとなり β - カルボキシル基がエステルとなったタンパク質あるいはペプチドとなる。

【0102】第4工程

さらに、このアミノ基がアシル化されC末端のアミノ酸 を失い新たに出現したC末端のアミノ酸のカルボキシル 基がエステルとなったタンパク質あるいはペプチドとア ミノ酸誘導体との混合物、あるいはアミノ基がアシル化 されC末端のアスパラギン酸のα-カルボキシル基がオ キサゾロンとなりβーカルボキシル基がエステルとなっ たタンパク質あるいはペプチドに、アルコールを酸存在 下で作用させる。ここで、アミノ基が修飾されC末端の アミノ酸を失い新たに出現したC末端のアミノ酸のカル ボキシル基がエステルとなったタンパク質あるいはペプ チドとアミノ酸誘導体はなんら作用を受けない。一方、 アミノ基が修飾されC末端のアスパラギン酸のαーカル ボキシル基がオキサゾロンとなりβーカルボキシル基が エステルとなったタンパク質あるいはペプチドは、アミ ノ基が修飾されC末端のアミノ酸を失い新たに出現した C末端のアミノ酸のカルボキシル基がエステルとなった タンパク質あるいはペプチドと、β-カルボキシル基が エステルとなったアスパラギン酸との混合物となる。

【0103】第5工程

さらに、ここでアミノ基が修飾されC末端のアミノ酸を 失い新たに出現したC末端のアミノ酸のカルボキシル基 がエステルとなったタンパク質あるいはペプチドとアミ ノ酸誘導体との混合物、あるいはアミノ基が修飾されC 末端のアミノ酸を失い新たに出現したC末端のアミノ酸 のカルボキシル基がエステルとなったタンパク質あるい はペプチドとβーカルボキシル基がエステルとなったア スパラギン酸との混合物に、例えば、一般式、NR1R 2R3で表されるアミンを作用させる。 ここで、ア ミノ基が修飾されC末端のアミノ酸を失ったタンパク質 あるいはペプチドとアミノ酸誘導体との混合物、あるい はアミノ基が修飾されC末端のアミノ酸を失ったタンパク質あるいはペプチドとアスパラギン酸との混合物が得 られる。このアスパラギン酸は、元のC末端アミノ酸で ある。

【0104】上記第1工程から第5工程において得られたアミノ酸あるいはアミノ酸誘導体を分離し同定するこ

とによって、タンパク質あるいはペプチドのC末端のアミノ酸を決定することが出来る。以下、アミノ基が修飾されC末端のアミノ酸を失ったタンパク質あるいはペプチドに、第1工程から第5工程の一連の操作と、得られたアミノ酸あるいはアミノ酸誘導体を分離し同定する操作とを、繰り返し実施することによって、タンパク質あるいはペプチドのC末端からのアミノ酸配列を決定することができる。

【0105】(実施例31)ここでは本発明の、タンパク質あるいはペプチドに、第1工程から第5工程の一連の操作と、第2工程を実施した後生成した混合物からアミノ酸を分離し同定する操作と、第5工程を実施した後生成した混合物からアミノ酸を分離し同定する操作とを、繰り返し実施することによってタンパク質あるいはペプチドのC末端からのアミノ酸配列を決定する操作手順の一例を示す。図37は本発明の実験手順を示す反応式の一例である。図38は本発明の実験方法を示す図である。

【0106】第1工程

試料に、無水酢酸を作用させる。まずタンパク質あるいはペプチド試料を含む試料溶液を小型の試験管34に入れた後乾燥させる。ここで、試験管35に反応試薬の溶液36(ここでは無水酢酸のアセトニトリル溶液)を入れておく。この試験管に先ほどの試料37を入れた小型の試験管34を入れる。この試験管35内を真空ポンプで減圧下に封管し反応を進行させる。

【0107】反応条件は下記の通りである。

反応条件

無水酢酸濃度 20% (アセトニトリル溶液)

反応温度 60℃ 反応時間 10分間

この反応後、この試験管35の上部を開管し、小型の試験管34を取り出す。さらに、減圧乾固し、用いた試薬と溶媒とを除去する。

【0108】第2工程

こうして得られた試料に、ヘプタフルオロ酪酸(HFBA)存在下でメタノールを作用させる。実験の手順と実験系の構成は第1工程に準じたものである。反応条件は下記の通りである。

反応条件

HFBA濃度 5% (メタノール溶液)

反応温度 25℃ 反応時間 30分間

この反応後、この試験管の上部を開管し、小型の試験管内を取り出す。さらに、減圧乾固し、用いた試薬と溶媒とを除去する。

【0109】第3工程

こうして得られた試料に、無水酢酸を作用させる。実験 の手順と実験系の構成は第1工程と同一である。

第4工程

こうして得られた試料に、ヘプタフルオロ酪酸(HFB A) 存在下でメタノールを作用させる。実験の手順と実 験系の構成は第2工程と同一である。

【0110】第5工程

こうして得られた試料に、2-ジメチルアミノエタノー ル(DMAE)を作用させる。実験の手順と実験系の構 成は第1工程に準じたものである。試験管に入れる溶液 は、DMAEの水溶液である。

【0111】反応条件は下記の通りである。

反応条件

DMAE濃度 50%(水溶液)

反応温度 50℃

反応時間 30分間

この一連の操作において、第2工程を実施後、得られた 試料からアミノ酸を分離し、そのアミノ酸を同定する。 さらに、第5工程実施後に、得られた試料からアミノ酸 を分離し、そのアミノ酸を同定する。

【0112】以下、アミノ基が修飾されC末端のアミノ 酸を失ったタンパク質あるいはペプチドに、第1工程か ら第5工程の一連の手順と、第2工程を実施して得られ たアミノ酸を分離し同定する操作と、第5工程を実施し て得られたアミノ酸を分離し同定する操作と、残存する アミノ酸およびアミノ酸誘導体を除去する操作とを、繰 り返し実施することによって、タンパク質あるいはペプ チドのC末端からのアミノ酸配列を決定することができ

【0113】(実施例32)ここでは本発明の、タンパ ク質あるいはペプチドに、第1工程から第5工程の一連 の操作と、第2工程を実施した後生成した混合物からア ミノ酸を分離し同定する操作とを、繰り返し実施するこ とによってタンパク質あるいはペプチドのC末端からの アミノ酸配列を決定する操作手順の一例を示す。

【0114】第1工程から第5工程までの一連の操作手 順は実施例2に記述したものと同一である。この一連の 操作において、第2工程を実施後、得られた試料からア ミノ酸を分離し、そのアミノ酸を同定する。さらに、第 5工程実施後に、残存するアミノ酸およびアミノ酸誘導 体を除去する。以下、アミノ基が修飾されC末端のアミ ノ酸を失ったタンパク質あるいはペプチドに、第1工程 から第5工程の一連の手順と、第2工程を実施して得ら れたアミノ酸を分離し同定する操作と、残存するアミノ 酸およびアミノ酸誘導体を除去する操作とを、繰り返し 実施することによって、タンパク質あるいはペプチドの C末端からのアミノ酸配列を決定することができる。

【0115】(実施例33)ここでは本発明の、タンパ ク質あるいはペプチドに、第1工程から第5工程の一連 の操作と、第3工程を実施した後生成した混合物からア ミノ酸誘導体を分離し同定する操作とを、繰り返し実施 することによってタンパク質あるいはペプチドのC末端 からのアミノ酸配列を決定する操作手順の一例を示す。

【0116】第1工程から第5工程までの一連の操作手 順は実施例2に記述したものと同一である。この一連の 操作において、第3工程を実施後、得られた試料からア ミノ酸誘導体を分離し、そのアミノ酸誘導体を同定す る。さらに、第5工程実施後に、残存するアミノ酸およ びアミノ酸誘導体を除去する。以下、アミノ基が修飾さ れC末端のアミノ酸を失ったタンパク質あるいはペプチ ドに、第1工程から第5工程の一連の手順と、第3工程 を実施して得られたアミノ酸誘導体を分離し同定する操 作と、残存するアミノ酸およびアミノ酸誘導体を除去す る操作とを、繰り返し実施することによって、タンパク 質あるいはペプチドのC末端からのアミノ酸配列を決定 することができる。

【0117】(実施例34)ここでは本発明の、タンパ ク質あるいはペプチドに、第1工程から第5工程の一連 の操作と、第4工程を実施した後生成した混合物からア ミノ酸誘導体を分離し同定する操作とを、繰り返し実施 することによってタンパク質あるいはペプチドのC末端 からのアミノ酸配列を決定する操作手順の一例を示す。 【0118】第1工程から第5工程までの一連の操作手 順は実施例2に記述したものと同一である。この一連の 操作において、第4工程を実施後、得られた試料からア ミノ酸誘導体を分離し、そのアミノ酸誘導体を同定す る。さらに、第5工程実施後に、残存するアミノ酸およ びアミノ酸誘導体を除去する。以下、アミノ基が修飾さ れC末端のアミノ酸を失ったタンパク質あるいはペプチ ドに、第1工程から第5工程の一連の手順と、第4工程 を実施して得られたアミノ酸誘導体を分離し同定する操 作と、残存するアミノ酸およびアミノ酸誘導体を除去す る操作とを、繰り返し実施することによって、タンパク 質あるいはペプチドのC末端からのアミノ酸配列を決定

【0119】(実施例35)ここでは、本発明の、タン パク質あるいはペプチドに、第1工程から第5工程の一 連の操作と、第5工程を実施した後生成した混合物から アミノ酸およびアミノ酸誘導体を分離し同定する操作と を、繰り返し実施することによってタンパク質あるいは ペプチドのC末端からのアミノ酸配列を決定する操作手 順の一例を示す。

することができる。

【0120】第1工程から第5工程までの一連の操作手 順は実施例2に記述したものと同一である。この一連の 操作において、第5工程を実施後、得られた試料からア ミノ酸およびアミノ酸誘導体を分離し、そのアミノ酸お よびアミノ酸誘導体を同定する。以下、アミノ基が修飾 されC末端のアミノ酸を失ったタンパク質あるいはペプ チドに、第1工程から第5工程の一連の手順と、第5工 程を実施して得られたアミノ酸およびアミノ酸誘導体を 分離し同定する操作とを、繰り返し実施することによっ て、タンパク質あるいはペプチドのC末端からのアミノ 酸配列を決定することができる。

【0121】(実施例36)ここでは第1工程における、オキサゾロンの生成を示す。試料として、配列番号1のペンタペプチド、ロイシルートリプトファニルーメチオニルーアルギニルーフェニルアラニン(Leu-Trp-Met-Arg-Phe)、を用いた。

【0122】オキサゾロンはアルコールの作用によって

容易に開裂しエステルとなることを利用した。実施例3 1に示した第1工程において得られた試料にメタノール を作用させた。この試料の質量分析を行った結果を第3 9図に示す。質量分析の条件は下記の通りである。 【0123】

質量分析の条件

分析装置: 二重収束質量分析計 HX-110(日本電子)

 測定条件
 : 加速電圧
 10kV

 分解能
 1,000

イオン源 FAB (高速粒子衝撃法)

イオン化ガス Xe イオンモード 陽イオン FABガン加速電圧 6kV

検出器 MULTIPLIER

 付加電圧
 -20kV

 データ処理システム
 DA5000

マトリックス

グリセロール:チオグリセロール:m-ニトロベンジル

アルコール

(GLYCEROL: THIOGLYCEROL

: m-NITROBENZYLALCOHOL)

=1:1:1

【0124】試料調製手順:

①試料を減圧乾固する。

②67%酢酸水溶液(あるいはジメチルホルムアミド) に溶解する。

③ターゲット上にマトリックスを1 µ1のせる。

 Φ さらにターゲット上に試料溶液を 1μ 1のせ、混和する。

5イオン源に導入する。

【0125】ここで、アミノ末端がアセチル化され、C 末端のカルボキシル基がメチルエステルとなった反応生成物(Ac-LWMRF-OMe:アセチルーロイシルートリプトファニルーメチオニルーアルギニルーフェニルアラニンのメチルエステル、分子量808)の分子イオンが検出されており(符号38)、実施例31に示した第1工程において得られた試料にオキサゾロンが含まれていることがわかる。

【0126】(実施例37)ここでは第2工程における、オキサゾロン環の開裂を示す。試料として、実施例35と同様に配列番号1のペンタペプチド、ロイシルートリプトファニルーメチオニルーアルギニルーフェニルアラニン(Leu-Trp-Met-Arg-Phe)、を用いた。

【0127】実施例31に示した第1工程と第2工程の 操作を行って得られた試料の質量分析を行った結果を第 40図に示す。ここでは、第1工程において得られた試 料に、第2工程としてヘプタフルオロ酪酸(HFBA) 存在下でメタノールを作用させた。実験の手順と実験系 の構成は第1工程に準じたものである。

【0128】反応条件は下記の通りである。

反応条件

HFBA濃度 5% (メタノール溶液)

反応温度 25℃ 反応時間 30分間

質量分析の条件は実施例36において記述したものと同じである。

【0129】アミノ末端がアセチル化され、C末端残基であったフェニルアラニンが脱離し、新たに出現したC末端のカルボキシル基がメチルエステルとなった反応生成物(AcーLWMR-OMe:アセチルーロイシルートリプトファニルーメチオニルーアルギニンのメチルエステル、分子量 661)の分子イオンが検出されており(符号39)、実施例2に示した第2工程においてオキサゾロン環の開裂が起きたことがわかる。

【0130】(実施例38)ここでは、高速液体クロマトグラフ(HPLC)分析と質量分析とを組み合わせて、第2工程におけるオキサゾロン環の開裂を示す。実施例31に示した第1工程、第2工程の操作を行って得られた反応生成物を高速液体クロマトグラフ(HPLC)で分離した結果を第41図に示す。こでは、第1工程において得られた試料に、第2工程としてヘプタフルオロ酪酸(HFBA)存在下でエタノールを作用させた。実験の手順と実験系の構成は第1工程に準じたものである。

【0131】反応条件は下記の通りである。

反応条件

HFBA濃度 5% (エタノール溶液)

反応温度 25℃ 反応時間 30分間

また、HPLC分析の条件と、試料調製手順は下記の通りである。

【0132】HPLC分析の条件

測定条件 : カラム C18 MICROBORE (資生堂)

溶出条件 : 下記2液を用いた濃度勾配溶出

A液 0.1%TFA水溶液

B液 0.1%TFAを含む80%アセトニトリル水溶液

分析時間

溶離液組成

0-5min.

A液80%

5-25min.

A液80→40% (LINEAR)

 $25 - 30 \, \text{min}$.

A液40%

試料調製手順:

①試料を減圧乾固する。

【0133】**②**0.1%トリフルオロ酢酸(TFA)に溶解する。

各ピークと各生成物の溶出との対応を次のように確かめた。第41図に示した1から3の各フラクション(符号40か42にそれぞれ対応する)を分取し、それぞれ質量分析を行った。質量分析の条件は実施例36において記述したものと同じである。

【0134】図42はフラクション1(符号40)を分析した結果である。ここで、アミノ末端がアセチル化され、C末端残基であったフェニルアラニンが脱離し、新たに出現したC末端のカルボキシル基がエチルエステルとなった反応生成物(Ac-LWMR-OEt:アセチルーロイシルートリプトファニルーメチオニルーアルギニンのエチルエステル、分子量 675)の分子イオンが検出された(符号46)。この結果からも実施例31に示した第2工程においてオキサゾロン環の開裂が起きたことがわかる。

【0135】図43はフラクション2(符号41)を質量分析した結果である。第44図はフラクション3(符号42)を質量分析した結果である。これら2つのフラクションをそれぞれ分析したところ、いずれにおいてもアミノ末端がアセチル化された配列番号1のペンタペプチド(Ac-LWMRF-OH:アセチルーロイシルートリプトファニルーメチオニルーアルギニルーフェニルアラニン、分子量794)の分子イオンが検出された(符号47、および符号48)。これは第1工程におけるオキサゾロン生成時のラセミ化の進行を示していると

考えられる。

【0136】以上の結果からも、第1工程においてオキサゾロン環が得られ、第2工程においてそのオキサゾロン環が開裂したことがわかる。

【0137】(実施例39)ここでは第5工程における、エステルの加水分解を示す。試料として、実施例36と同様に配列番号1のペンタペプチド、ロイシルートリプトファニルーメチオニルーアルギニルーフェニルアラニン(Leu-Trp-Met-Arg-Phe)、を用いた。

【0138】実施例31に示した第1工程から第5工程までの一連の操作を行って得られた試料の質量分析を行った結果を第45図に示す。質量分析の条件は実施例36において記述したものと同じである。ここで、アミノ末端がアセチル化され、C末端残基であったフェニルアラニンが脱離し、メチルエステルとなっていた新たに出現したC末端のカルボキシル基が遊離のカルボキシル基となった反応生成物(Ac-LWMR-OH:アセチルーロイシルートリプトファニルーメチオニルーアルギニン、分子量 647)の分子イオンが検出されており(符号49)、実施例2に示した第5工程においてエステルの加水分解が起こったことがわかる。

【0139】以上実施例30から実施例39において述べてきた結果をまとめると次のようになる。本発明においては、C末端からのアミノ酸の配列分析を実行するために、下記第1工程から第5工程から構成される一連の操作と、生成したアミノ酸あるいはアミノ酸誘導体を分離し同定する操作との組み合わせを、繰り返し実施した。

【0140】第1工程

タンパク質あるいはペプチドに、酸無水物を作用させ、 タンパク質あるいはペプチドのアミノ末端を保護し、C 末端のアミノ酸残基にオキサゾロンあるいは分子内酸無 水物(アスパラギン酸の場合)を生成させる。

第2工程

酸存在下でアルコールを作用させ、第1工程の反応生成物に含まれるオキサゾロンに、アルコリシス(エステル化)を生起させ、カルボキシ末端アミノ酸を遊離させるか、あるいは、分子内酸無水物をアルコリシスにより開環させる。

【0141】第3工程

酸無水物を作用させ、第2工程の反応生成物に含まれる、C末端が閉鎖されていないタンパク質あるいはペプチドのC末端のアミノ酸残基にオキサゾロンを生成させる。

第4工程

酸存在下でアルコールで作用させ、第3工程の反応生成 物に含まれるオキサゾロンに、アルコリシス(エステル 化)を生起させ、カルボキシ末端アミノ酸を遊離させ る。

【0142】第5工程

アミンを作用させ、第4工程の反応生成物に含まれるエ ステルを加水分解する。

[0143]

【発明の効果】本発明によれば、C末端からのアミノ酸の配列分析を実行するために、上記各工程から構成される一連の操作と、生成したアミノ酸を分離し同定する操作との組み合わせを繰り返し実施することによって、酵素を用いることなくタンパク質あるいはペプチドのC末端からのアミノ酸配列を順次決定することを可能としたため、酵素を使用することによるアミノ酸およびペプチドの混入や汚染を防止でき、微量分析に適する配列分析を提供できる。また、本発明によれば、求めるペプチド結合の切断を行え、正確な配列分析を行えるという効果がある。

[0144]

【配列表】

配列番号 : 1 配列の長さ:5

配列の形 : アミノ酸 トポロジー: 直鎖状 配列の種類: ペプチド

配列 : Leu-Trp-Met-Arg-Phe

【図面の簡単な説明】

【図1】本発明のアミノ酸配列を決定する第1の工程図である。

【図2】本発明の実験手順を示す反応式である。

【図3】従来のカルボキシペプチダーゼを用いた場合の 分析方法を示す工程図である。

【図4】従来のトリメチルシリルイソチオシアナートを 用いた場合の分析方法示す工程図である。

【図5】アラニルトリプトファンの溶出位置の確認のためのHPLCの結果を示す図である。

【図6】N-アセチルアラニルトリプトファンの溶出位置の確認のためのHPLCの結果を示す図である。

【図7】N-アセチルアラニルトリプトファニルメチオニルアルギニルフェニルアラニンの溶出位置の確認のためのHPLCの結果を示す図である。

【図8】N-アセチルアラニルトリプトファニルメチオニルアルギニルフェニルアラニルアラニンの溶出位置の確認のためのHPLCの結果を示す図である。

【図9】オキサゾロン生成の確認のためのHPLCの結果を示す図である。

【図10】オキサゾロン環の開裂の確認のためのHPL Cの結果を示す図である。

【図11】本発明のアミノ酸配列を決定する第2の工程 図である。

【図12】本発明の他の実験手順を示す反応式である。

【図13】トリプトファンの溶出位置の確認のためのH

PLCの結果を示す図である。

【図14】アラニルトリプトファンの溶出位置の確認のためのHPLCの結果を示す図である。

【図15】N-アセチルアラニルトリプトファンの溶出位置の確認のためのHPLCの結果を示す図である。

【図16】N-アセチルアラニルトリプトファンのエチルエステルの溶出位置の確認のためのHPLCの結果を示す図である。

【図17】オキサゾロン生成の確認のためのHPLCの 結果を示す図である。

【図18】オキサゾロン環の開裂の確認のためのHPL Cの結果を示す図である。

【図19】加水分解の確認のためのHPLCの結果を示す図である。

【図20】実施例8で得られた試料を質量分析した結果を示す図である。

【図21】実施例9で得られた試料を質量分析した結果 を示す図である。

【図22】実施例10で得られた試料を質量分析した結果を示す図である。

【図23】実施例11で得られた試料を質量分析した結果を示す図である。

【図24】実施例12で得られた試料を質量分析した結果を示す図である。

【図25】実施例13で得られた試料を質量分析した結果を示す図である。

【図26】実施例14で得られた試料を質量分析した結果を示す図である。

【図27】実施例15で得られた試料を質量分析した結果を示す図である。

【図28】実施例16で得られた試料を質量分析した結果を示す図である。

【図29】実施例17で得られた試料を質量分析した結果を示す図である。

【図30】実施例18で得られた試料を質量分析した結果を示す図である。

【図31】実施例19で得られた試料を質量分析した結果を示す図である。

【図32】実施例20で得られた試料を質量分析した結果を示す図である。

【図33】実施例21で得られた試料を質量分析した結果を示す図である。

【図34】実施例22で得られた試料を質量分析した結果を示す図である。

【図35】実施例23で得られた試料を質量分析した結果を示す図である。

【図36】本発明のアミノ酸配列を決定する第3の工程 図である。

【図37】本発明の他の実験手順を示す反応式である。

【図38】本発明の他の実験方法を示す図である。

【図39】オキサゾロン生成の確認のための質量分析の 結果である。

【図40】オキサゾロン環の開裂の確認のための質量分析の結果である。

【図41】オキサゾロン環の開裂の確認のためのHPL Cの結果である。

【図42】オキサゾロン環の開裂の確認のための、HP LCで分離した生成物の質量分析の結果である。

【図43】オキサゾロン環の開裂の確認のための、HP LCで分離した生成物の質量分析の結果である。

【図44】オキサゾロン環の開裂の確認のための、HP LCで分離した生成物の質量分析の結果である。

【図45】加水分解の確認のための質量分析の結果である。

【符号の説明】

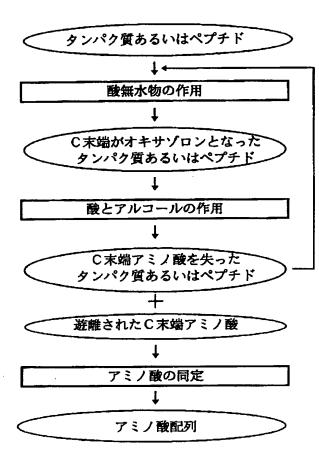
- 1 アラニルトリプトファンのピーク
- 2 N-アセチルアラニルトリプトファンのピーク
- 3 N-アセチルアラニルトリプトファニルメチオニル アルギニルフェニルアラニンのピーク
- 4 N-アセチルアラニルトリプトファニルメチオニル アルギニルフェニルアラニンのピーク
- 5 N-アセチルアラニルトリプトファニルメチオニル アルギニルフェニルアラニルアラニンのピーク
- 6 N-アセチルアラニルトリプトファンのピーク
- 7 N-アセチルアラニルトリプトファニルメチオニル アルギニルフェニルアラニンのピーク
- 8 N-アセチルアラニルトリプトファニルメチオニル アルギニルフェニルアラニンのピーク
- 9 トリプトファンのピーク
- 10 アラニルトリプトファンのピーク
- 11 N-アセチルアラニルトリプトファンのピーク
- 12 N-アセチルアラニルトリプトファンのエチルエステルのピーク
- 13 N-アセチルアラニルトリプトファンのピーク
- 14 トリプトファンのピーク
- 15 N-アセチルアラニルトリプトファンのピーク
- 16 Ac-LWMR-OEtの分子イオンの信号
- 17 Ac-LWMR-OE t アセチル化された化合物 の分子イオンの信号
- 18 AcーLWMR-OE tのアセチル化がさらに進んだ化合物の分子イオンの信号
- 19 Ac-LWMR-OE tの分子イオンの信号
- 20 Ac-LWMR-OE tの分子イオンの信号
- 21 Ac-LWMR-OE tの分子イオンの信号
- 22 Ac-LWMR-OE tの分子イオンの信号
- 23 Ac-LWMR-OE tの分子イオンの信号
- 24 Ac-LWMR-OEtの分子イオンの信号
- 25 Ac-LWMR-OEtの分子イオンの信号
- 26 Ac-LWMR-OEtの分子イオンの信号
- 27 Ac-LWMR-OMeの分子イオンの信号

- 28 Ac-LWMR-OMeの分子イオンの信号
- 29 Ac-LWMR-OEtの分子イオンの信号
- 30 Ac-LWMR-OEtの分子イオンの信号
- 31 Ac-LWMR-OMeの分子イオンの信号
- 32 Ac-LWMR-OMeの分子イオンの信号
- 33 Ac-LWMR-OMeの分子イオンの信号
- 34 小型の試験管
- 35 試験管
- 36 反応試薬の溶液
- 37 試料
- 38 配列番号1のペンタペプチドのアミノ末端がアセチル化されC末端のカルボキシル基がメチルエステルとなった反応生成物(分子量808)に対応する分子イオン由来の信号
- 39 配列番号1のペンタペプチドのアミノ末端がアセチル化されC末端残基であったフェニルアラニンが脱離し新たに出現したC末端のカルボキシル基がメチルエステルとなった反応生成物分子量661)に対応する分子イオン由来の信号
- 40 実施例2に示した第1工程、第2工程の操作を行って得られた反応生成物を高速液体クロマトグラフ(HPLC)で分離したフラクション1
- 41 実施例2に示した第1工程、第2工程の操作を行って得られた反応生成物を高速液体クロマトグラフ(HPLC)で分離したフラクション2
- 42 実施例2に示した第1工程、第2工程の操作を行って得られた反応生成物を高速液体クロマトグラフ(HPLC)で分離したフラクション3
- 43 配列番号1のペンタペプチドのアミノ末端がアセチル化されC末端残基であったフェニルアラニンが脱離し新たに出現したC末端のカルボキシル基がエチルエステルとなった反応生成物(分子量675)のピーク
- 44 配列番号1のペンタペプチドのアミノ末端がアセチル化された反応生成物(分子量794)のピーク
- 45 配列番号1のペンタペプチドのアミノ末端がアセチル化された反応生成物(分子量794)のピーク
- 46 配列番号1のペンタペプチドのアミノ末端がアセチル化されC末端残基であったフェニルアラニンが脱離し新たに出現したC末端のカルボキシル基がエチルエステルとなった反応生成物(分子量675)に対応する分子イオン由来の信号
- 47 配列番号1のペンタペプチドのアミノ末端がアセチル化された反応生成物(分子量794)に対応する分子イオン由来の信号
- 48 配列番号1のペンタペプチドのアミノ末端がアセチル化された反応生成物(分子量794)に対応する分子イオン由来の信号
- 49 配列番号1のペンタペプチドのアミノ末端がアセチル化されC末端残基であったフェニルアラニンが脱離しメチルエステルとなっていた新たに出現したC末端の

カルボキシル基が遊離のカルボキシル基となった反応生

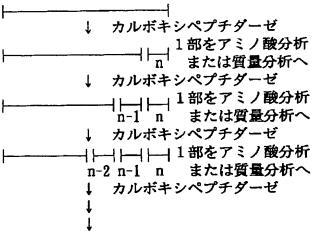
成物(分子量647)に対応する分子イオン由来の信号

【図1】



【図3】

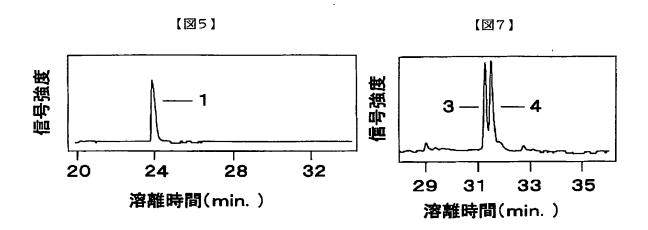
タンパク質あるいはペプチド

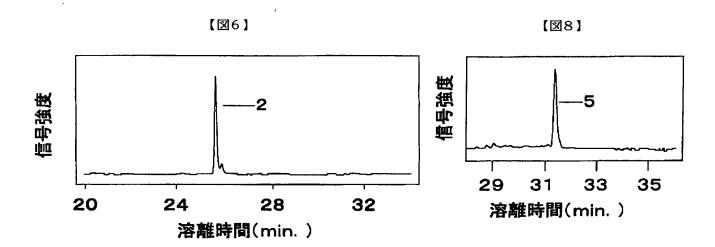


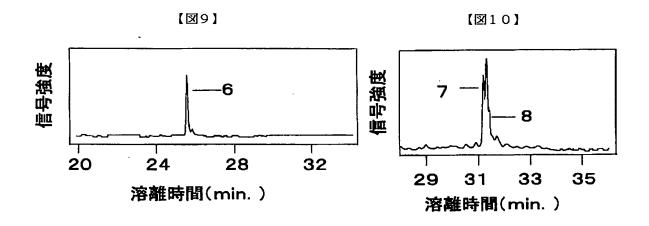
【図2】

Ac: アセチル基 Rn:アミノ酸の側鎖

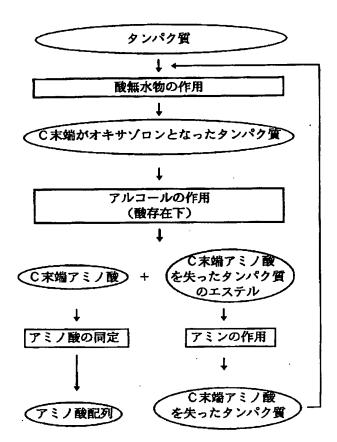
【図4】







【図11】

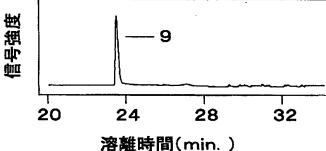


【図12】

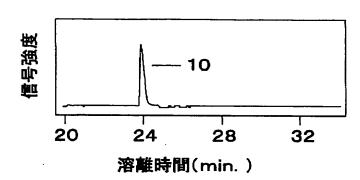
H2NCHR1CO • • NHCHRn-1CONHCHRnCOOH →↓酸無水物 [ACNHCHR1CO • NHCHRn-1CONHCHRnCOOH] ↓酸無水物 ACNHCHR 1CO • NHCHRn-1C=N-CHRn ↓アルコール ACNHCHR1CO • NHCHRn-1COOR' + H2NCHRnCOOH ↓アミン ACNHCHR 1CO - NHCHRn-1COOH

Ac:アセチル基 Rn:アミノ酸の側鎖 R':アルキル基

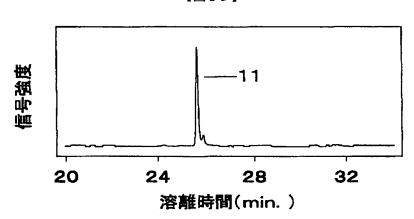
【図13】



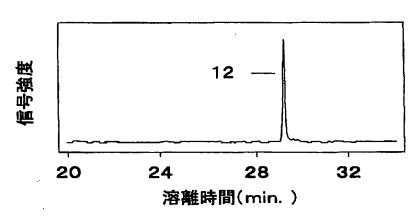
【図14】



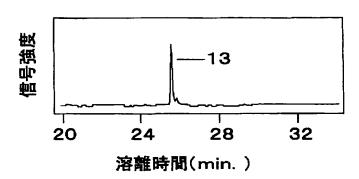
【図15】



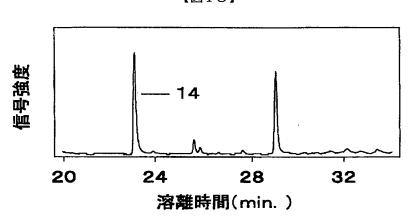
【図16】



【図17】



【図18】



【図19】

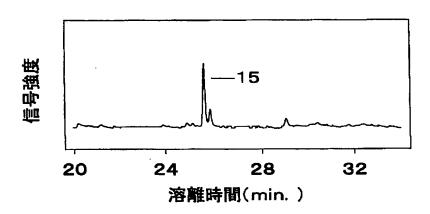
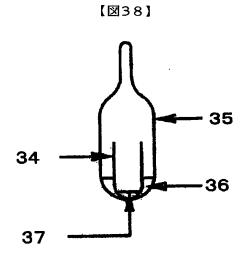
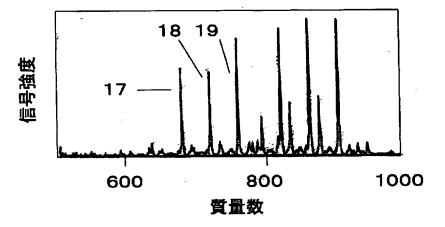


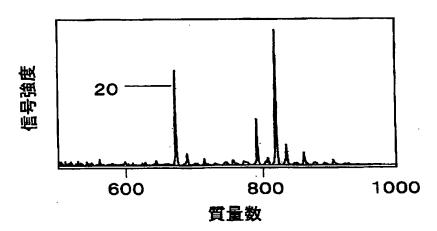
图20] 图 16 — 600 800 1000 質量数



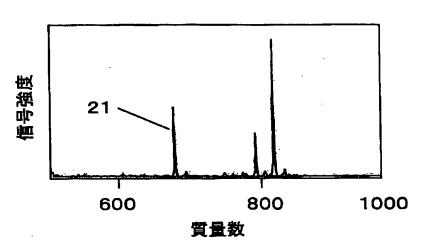
【図21】



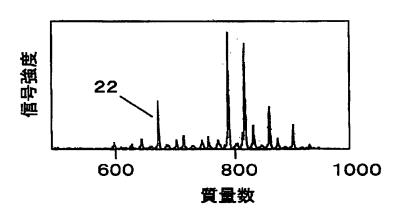
【図22】



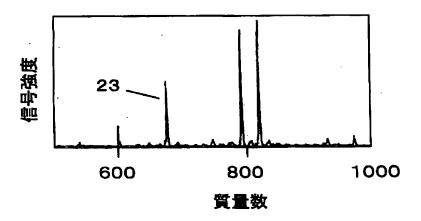
【図23】



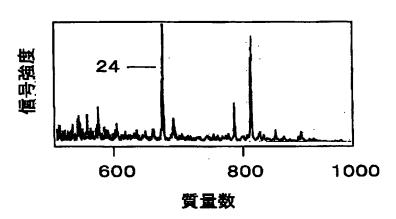
【図24】



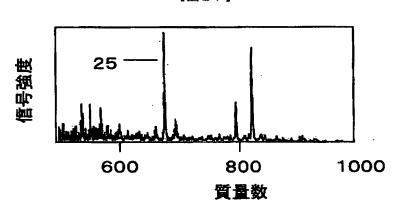
【図25】



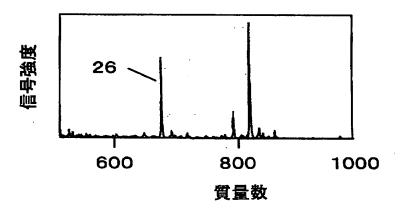
【図26】



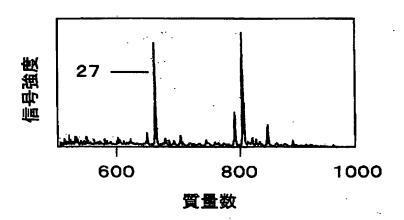
【図27】



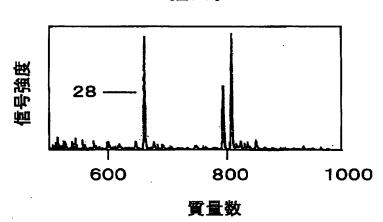
【図28】



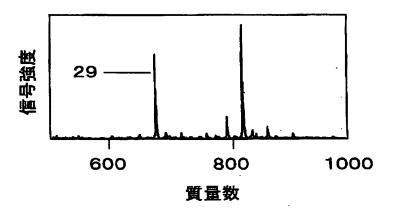
【図29】



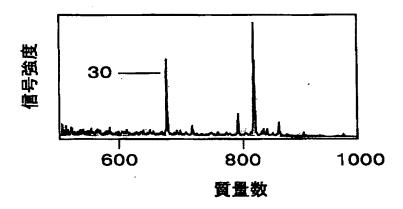
【図30】



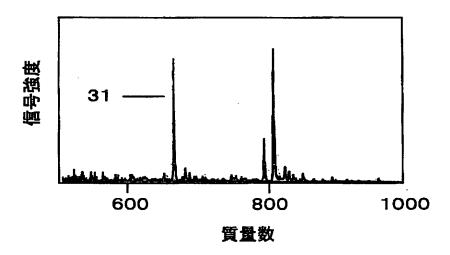
【図31】



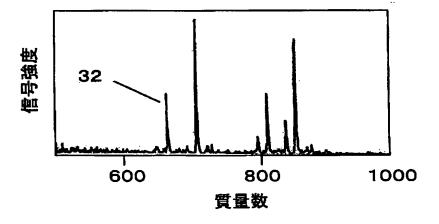
【図32】



【図33】

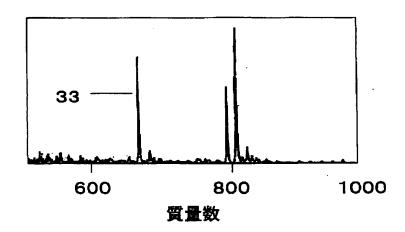


【図34】



【図35】

信号強度



【図36】

【図37】

アミノ酸配列

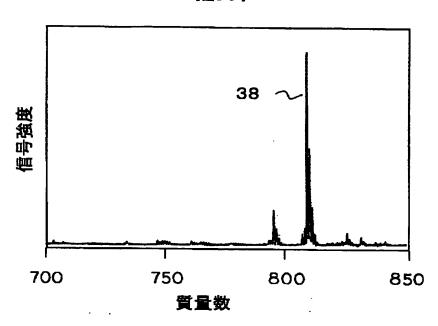
H2NCHR1CO • • NHCHRn-1CONHCHRnCOOH ↓ 酸無水物 → [AcNHCHR1CO・・NHCHRn-1CONHCHRnCOOH] ↓ 酸無水物 (*) AcNHCHR1CO • NHCHRn-1C=N-CHRn 00-0° ACNHCHR1CO • NHCHRn-1CONHCHCH2CO 0C-0 **↓ アルコール (酸存在下)** ACNHCHR1CO · · NHCHRn-1COOR' + H2NCHRnCOOH (*) AcNHCHR1CO • • NHCHRn-1CONHCHCOOH CH 2000R' ↓ 酸無水物 ACNHCHR1CO · · NHCHRn-1COOR' + ACNHCHRnCOOH (*) AcNHCHR1CO · NHCHRn-1C=N-CHCH2COOR' `0-ćo ↓ アルコール(酸存在下) ACNHCHR1CO - NHCHRn-1COOR' + ACNHCHRnCOOH (*) ACNHCHR1CO • • NHCHRa-1COOR' + H2NCHCOOH CH 2COOR' ↓ アミン ACNHCHR1CO •• NHCHRa-1COOH + ACNHCHRaCOOH (*) AcNHCHR1CO - NHCHRn-1COOH + H2NCHCOOH CH2COOH

Ac:アセチル基

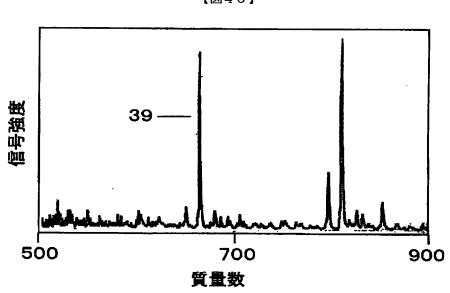
Rn:アミノ酸の側鎖。R':アルキル基

*:C末端アミノ酸がアスパラギン酸以外の場合

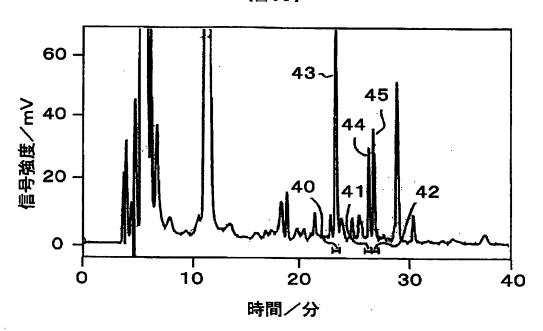
【図39】



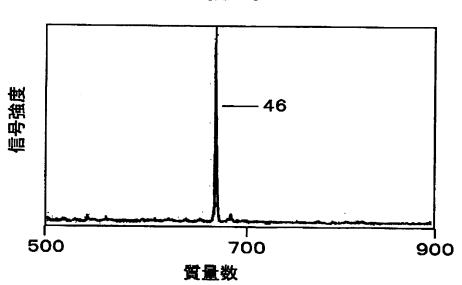
【図40】



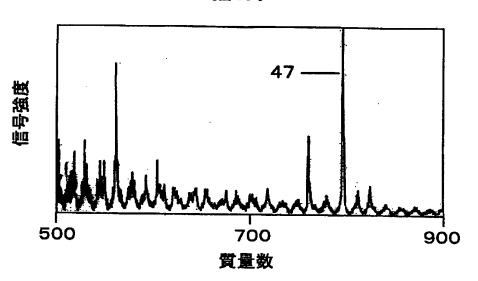
【図41】



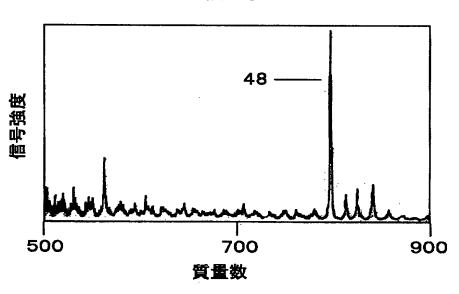
【図42】



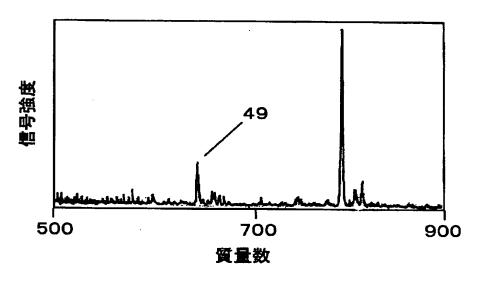
【図43】



【図44】







【手続補正書】

【提出日】平成9年9月2日

【手続補正1】

【補正対象書類名】明細書

【補正対象項目名】0114

【補正方法】変更

【補正内容】

【0114】第1工程から第5工程までの一連の操作手順は実施例31に記述したものと同一である。この一連の操作において、第2工程を実施後、得られた試料からアミノ酸を分離し、そのアミノ酸を同定する。さらに、第5工程実施後に、残存するアミノ酸およびアミノ酸誘導体を除去する。以下、アミノ基が修飾されて末端のアミノ酸を失ったタンパク質あるいはペプチドに、第1工程から第5工程の一連の手順と、第2工程を実施して得られたアミノ酸を分離し同定する操作と、残存するアミノ酸およびアミノ酸誘導体を除去する操作とを、繰り返し実施することによって、タンパク質あるいはペプチドのC末端からのアミノ酸配列を決定することができる。

【手続補正2】

【補正対象書類名】明細書

【補正対象項目名】0116

【補正方法】変更

【補正内容】

【0116】第1工程から第5工程までの一連の操作手順は実施例31に記述したものと同一である。この一連の操作において、第3工程を実施後、得られた試料からアミノ酸誘導体を分離し、そのアミノ酸誘導体を同定する。さらに、第5工程実施後に、残存するアミノ酸およびアミノ酸誘導体を除去する。以下、アミノ基が修飾さ

れC末端のアミノ酸を失ったタンパク質あるいはペプチドに、第1工程から第5工程の一連の手順と、第3工程を実施して得られたアミノ酸誘導体を分離し同定する操作と、残存するアミノ酸およびアミノ酸誘導体を除去する操作とを、繰り返し実施することによって、タンパク質あるいはペプチドのC末端からのアミノ酸配列を決定することができる。

【手続補正3】

【補正対象書類名】明細書

【補正対象項目名】0118

【補正方法】変更

【補正内容】

【0118】第1工程から第5工程までの一連の操作手順は実施例31に記述したものと同一である。この一連の操作において、第4工程を実施後、得られた試料からアミノ酸誘導体を分離し、そのアミノ酸誘導体を同定する。さらに、第5工程実施後に、残存するアミノ酸およびアミノ酸誘導体を除去する。以下、アミノ基が修飾されて末端のアミノ酸を失ったタンパク質あるいはペプチドに、第1工程から第5工程の一連の手順と、第4工程を実施して得られたアミノ酸誘導体を分離し同定する操作と、残存するアミノ酸およびアミノ酸誘導体を除去する操作とを、繰り返し実施することによって、タンパク質あるいはペプチドのC末端からのアミノ酸配列を決定することができる。

【手続補正4】

【補正対象書類名】明細書

【補正対象項目名】0120

【補正方法】変更

【補正内容】

【0120】第1工程から第5工程までの一連の操作手順は実施例31に記述したものと同一である。この一連の操作において、第5工程を実施後、得られた試料からアミノ酸およびアミノ酸誘導体を分離し、そのアミノ酸およびアミノ酸誘導体を同定する。以下、アミノ基が修飾されて未端のアミノ酸を失ったタンパク質あるいはペプチドに、第1工程から第5工程の一連の手順と、第5工程を実施して得られたアミノ酸およびアミノ酸誘導体を分離し同定する操作とを、繰り返し実施することによって、タンパク質あるいはペプチドのC末端からのアミノ酸配列を決定することができる。

【手続補正5】

【補正対象書類名】明細書

【補正対象項目名】0132

【補正方法】変更

【補正内容】

【0132】HPLC分析の条件

測定条件

<u>カラム : C18 MICROBORE (資生堂)</u>

溶出条件:下記2液を用いた濃度勾配溶出

A液 0.1%TFA水溶液

B液 0.1%TFAを含む80%アセトニトリル水溶

Ì

分析時間

溶離液組成

0-5min.

A液80%

5-25min.

A液80→40%(LINEAR)

 $25 - 30 \, \text{min}$.

A液40%

試料調製手順:

O試料を減圧乾固する。

フロントページの続き

(72) 発明者 次田 晧

千葉県柏市泉町17-28 石塚ビル305

(72) 発明者 高本 圭司

千葉県流山市江戸川台東3-12-8 ベル グリーン203号